

1/108

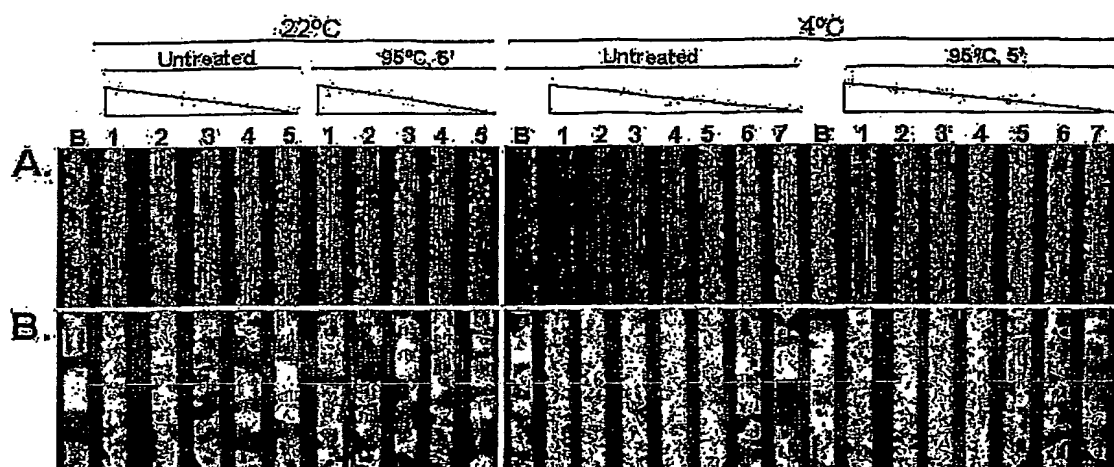


FIGURE 1

2/108

VGTSPGIALSNLPYVNHNRRTLDQPPY-ITG
 TNNKVRSG
 MARCNWLLLLLCFLWPVASTPCHHHDLHALRGFAELGGCGGALLRTAWSGASCOWEGVGCDGATRVATPRPGCHQATPRPGASACAGWJZEE
 LFGSGSGLVWVD-EPFGHARLK
 LSSASVQWELSP-RUGEXTRITS
 WDSNDPFSRIED-VFDDATSTSEH
 LAHNDPGRLEP-SLASSEIRE
 LAFERNNSGCEPARVSGMPFESS
 VDFSTHETGANT-SIACGERS
 RNTANNTEVENTIS-WNGEFDRLWY
 LIDGNNNSFVSEVER-SIREDMDHTT
 LGLACGKXLTGXIPX-XLGLXGLXIXZ

VGTRSPGIASNLPLVYNHNRRTLEQPN-TIG
TNNTNMSG
RNNT-MEG
NNYX-MSG
DNN-AWSSG
SNNLT-COJ
DNN-MITC
DLH-LMSG
SNR-TMTN
RYA-KUSJC
TNA--
SNNI-VSD
SNNI-WBG
SGNI-VSD
SNN-IWSG
SNK-LTG*

SNNIVBSG

FIGURE 2A

3/108

DaIRIPd
 MAPKCVLLLLPSAFLLSAAGATSCHEPDDILRALQSFAGNLGSPGGVLPRAAWSGASCCDWEGVSCDGASGRVTMPPPTPQD-----GASFLAQTR-----
 HVKGNRRTLAVQDNT-ITG
 TRNNTVSG
 ENK-NVSG
 NDNTVSG
 NRN-NVSG
 SNNTVSG
 SDNT-ITG
 ENH-NVSG
 RNR-ITD
 NNR-ATG
 HDN-NVSG
 EPH-NVSG
 NNR-NVSG
 SNNT-NVSG
 ENH-NVSG
 ENK-NVSG*
 SNNTVSG

FIGURE 2A (cont.)

[illegible]

FIGURE 2B

5/108

	*	420	*	440	*	460	*	480																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																
DaIRIPa :	-----								-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																															
DaIRIPd :	-----								-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																															
DaIRIPe :	-----								-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																															
LpIRIPa :	-----					LNLANNKLVG	TI	PSWIGL	LDHL	CYLDLS	NNS	128																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
LpIRIPb :	-----					LNLANNKLVG	TI	PSWIGL	LDHL	CYLDLS	NNS	128																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
LpIRIP :	-----											-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
LmIRIP :	-----					LNLANNKLVG	TI	PSWIGL	LDHL	CYLDLS	NNS	128																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
TaIRIP :	-----					LNLANNKLVG	TI	PSWIGL	LDHL	CYLDLS	NNS	127																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
HvIRIP :	-----					LNLANNKLVG	TI	PSWIGL	LDHL	CYLDLS	NNS	272																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
OspPSKR :	-----					LNLANNKLVG	TI	PSWIGL	LDHL	CYLDLS	NNS	477																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
	*	500	*	520	*	540	*	560																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																
DaIRIPa :	-----					HVKGNRRTL	DE	QPNKIS	GT	NNSV	RE	GRNML	AG	ND	TV	IS	GN	NNT	V	SG	143																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																			
DaIRIPd :	-----					HVKGNRRTL	AV	QPN	TI	IG	TNNV	V	SG	NNV	SG	ND	NT	V	IS	GN	NNT	V	SG	138																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																
DaIRIPe :	-----					HVKGNRRTL	DE	QPN	TI	IG	TNNV	V	RE	GRNML	AG	ND	TV	IS	GN	NNT	V	SG	144																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	
LpIRIPa :	-----					LVG	EIP	K	N	L	O	T	R	L	R	C	L	N	I	V	G	R	S	L	G	M	A	S	T	N	M	L	O	V	K	H	N	O	A	L	S	G	O	P	N	T	I	G	T	N	N	V	V	S	G	N	N	V	S	G	N	H	N	T	V	I	S	G	N	N	V	SG	208																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																															
LpIRIPb :	-----					LVG	EIP	K	N	L	O	T	R	L	R	C	L	N	I	V	G	R	S	L	G	M	A	S	T	N	M	L	O	V	K	H	N	O	A	L	S	G	O	P	N	T	I	G	T	N	N	V	V	S	G	N	N	V	S	G	N	H	N	T	V	I	S	G	N	N	V	SG	208																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																															
LpIRIP :	-----																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																							

FIGURE 2B (cont.)

6/108

```

      *      820      *      840      *      860      *      880
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : LVNISKREVSIIDDEEINGSCHDSYDYWKPVLPFQDSAKELTVSDLIKSTNNFDOANIGCGGFGLVYKAYLPDGKRAIV : 763

      *      900      *      920      *      940      *      960
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : KRLSGDCCOMEREFRAVEBALSOAQHNILVSLRGYCRYGNDRLLIYSYMENNSLDVWHLHERSDCGYMLKWSRLKIAQGS : 843

      *      980      *      1000      *      1020      *      1040
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : ARGLAYLHKDCEPNIHRDVKSSNILLNENFEAHLADFGLARLIOPYDTHVTITDLVCTLGYYIPPEYSQSVIATPKGDVVS : 923

      *      1060      *      1080      *      1100      *      1120
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : FGVVLELLTGRRPMDVSKAGSRDLVSYVLQMISEKKEQIFDTTITWSKTHEKQLFSVLEAACRCISTDPORRPSIEQV : 1003

      *      1140      *      1160      *
DaIRIPa : ----- : -
DaIRIPd : ----- : -
DaIRIPe : ----- : -
LpIRIPa : ----- : -
LpIRIPb : ----- : -
LpIRIP  : ----- : -
LmIRIP  : ----- : -
TaIRIP  : ----- : -
HvIRIP  : ----- : -
OspPSKR : VAVLDSV----- : 1010
```

FIGURE 2B (cont.)

7/108

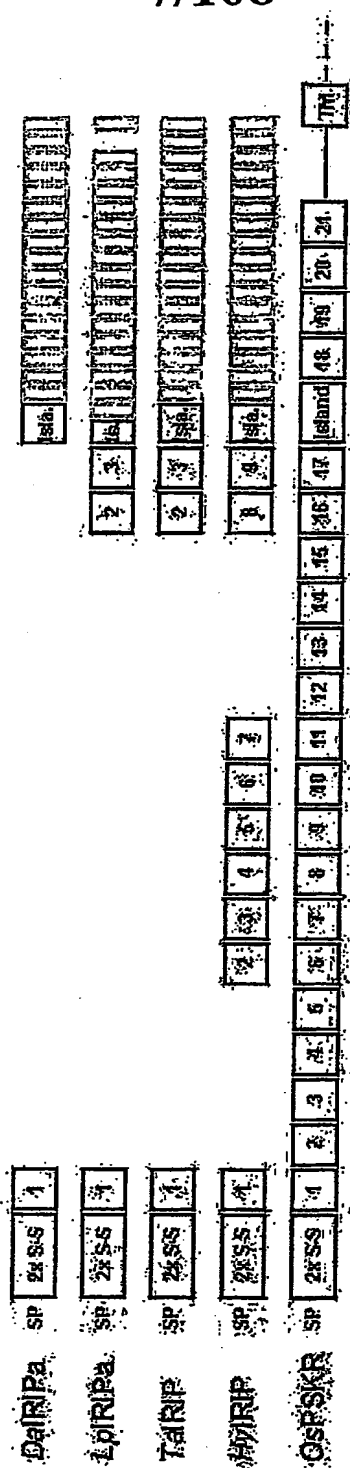


FIGURE 2C

8/108

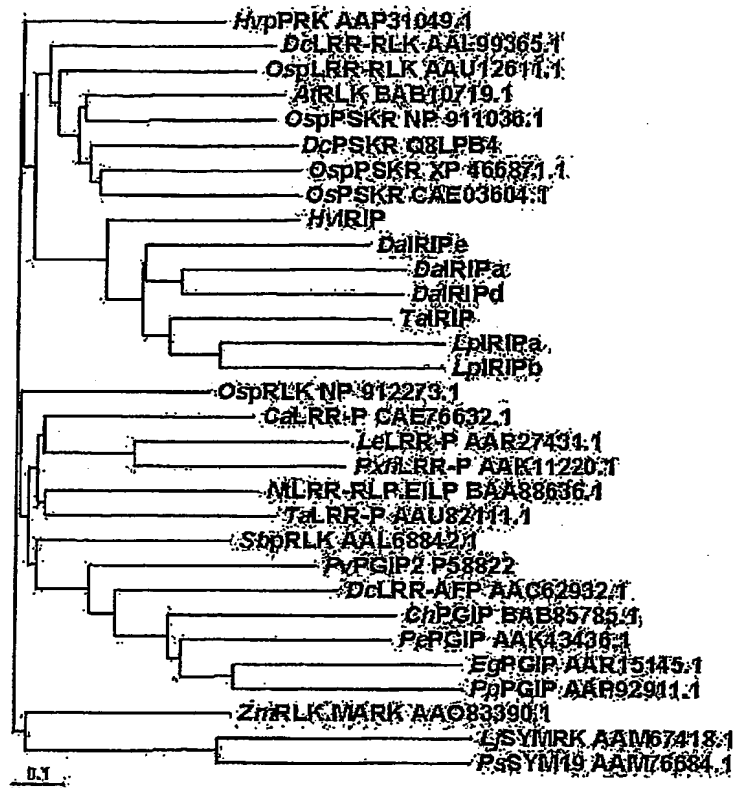
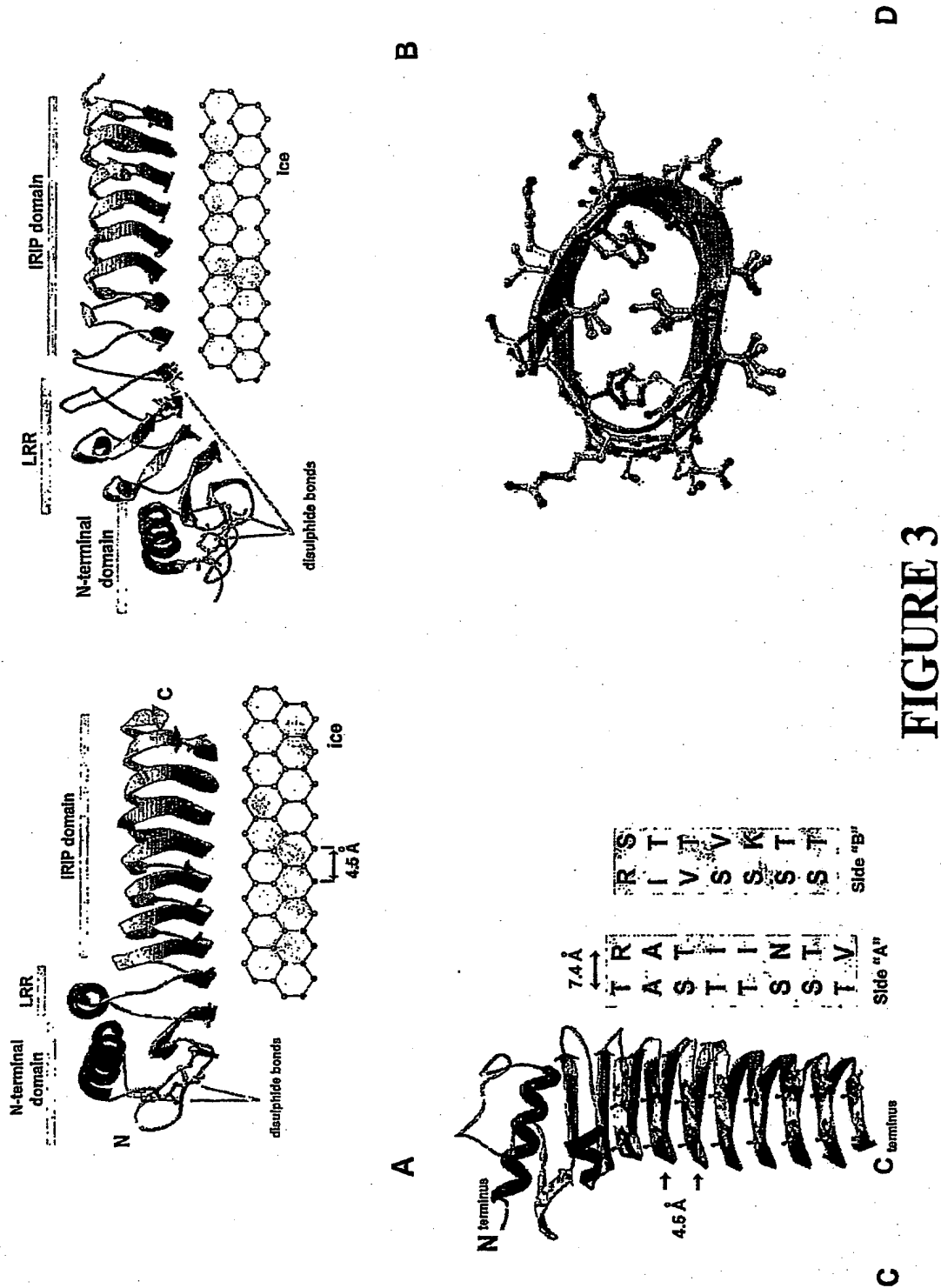


FIGURE 2D

9/108



10/108

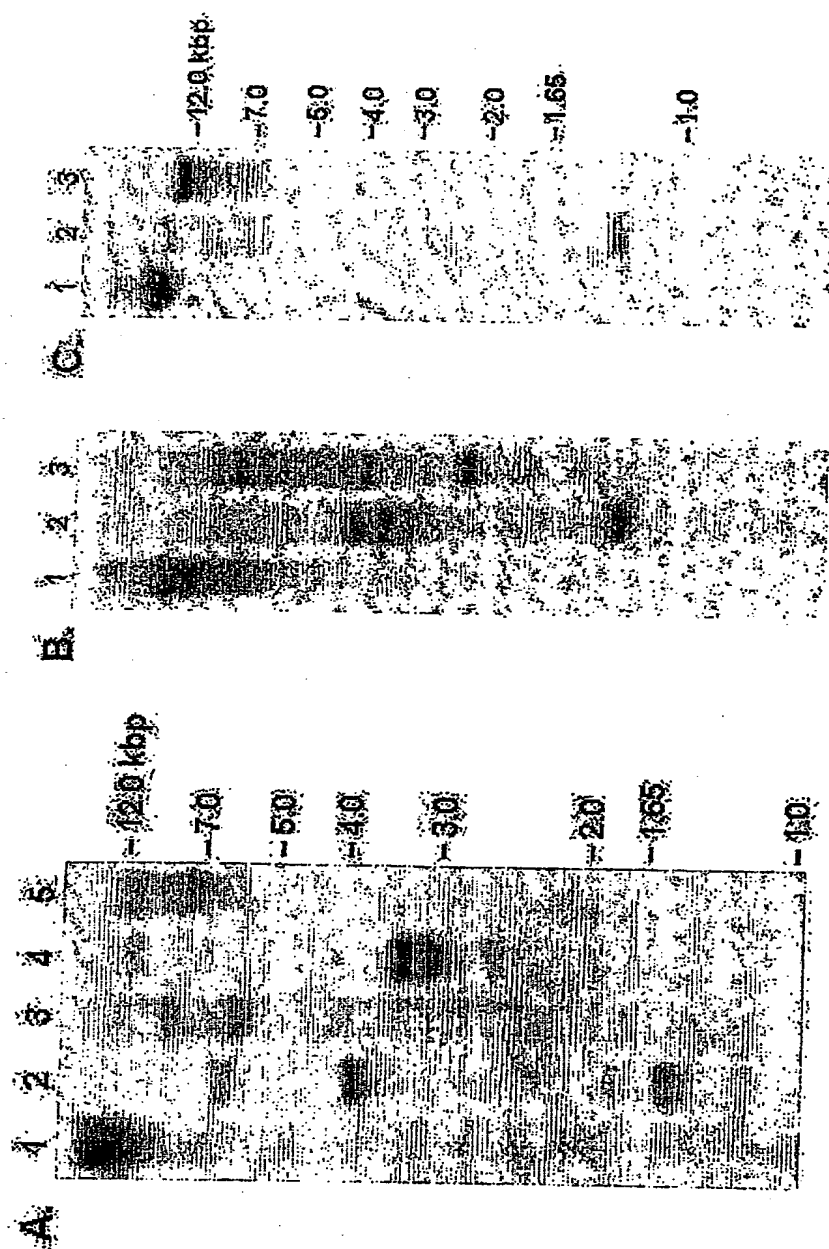


FIGURE 4

11/108

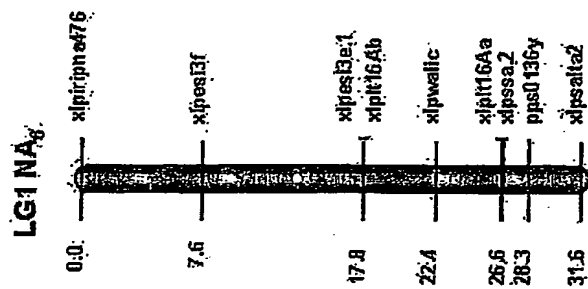
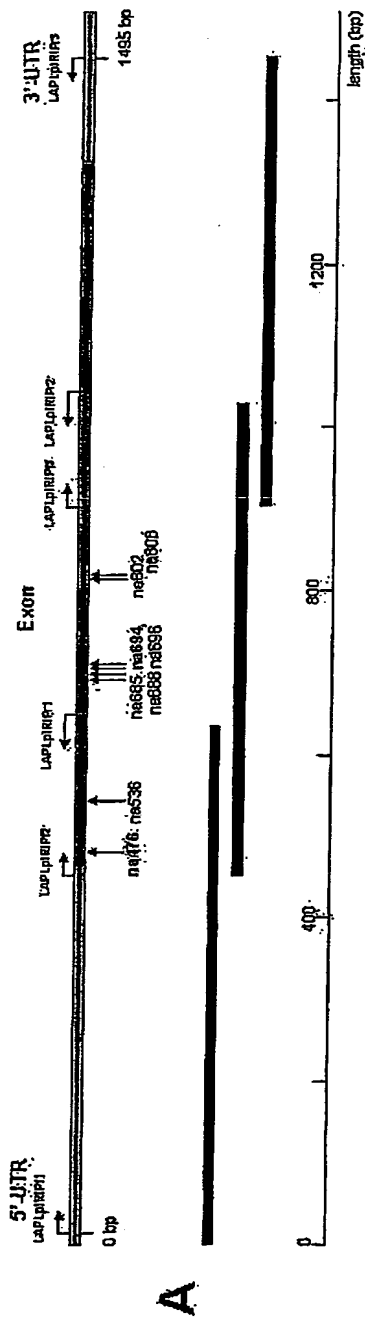


FIGURE 5

12/108

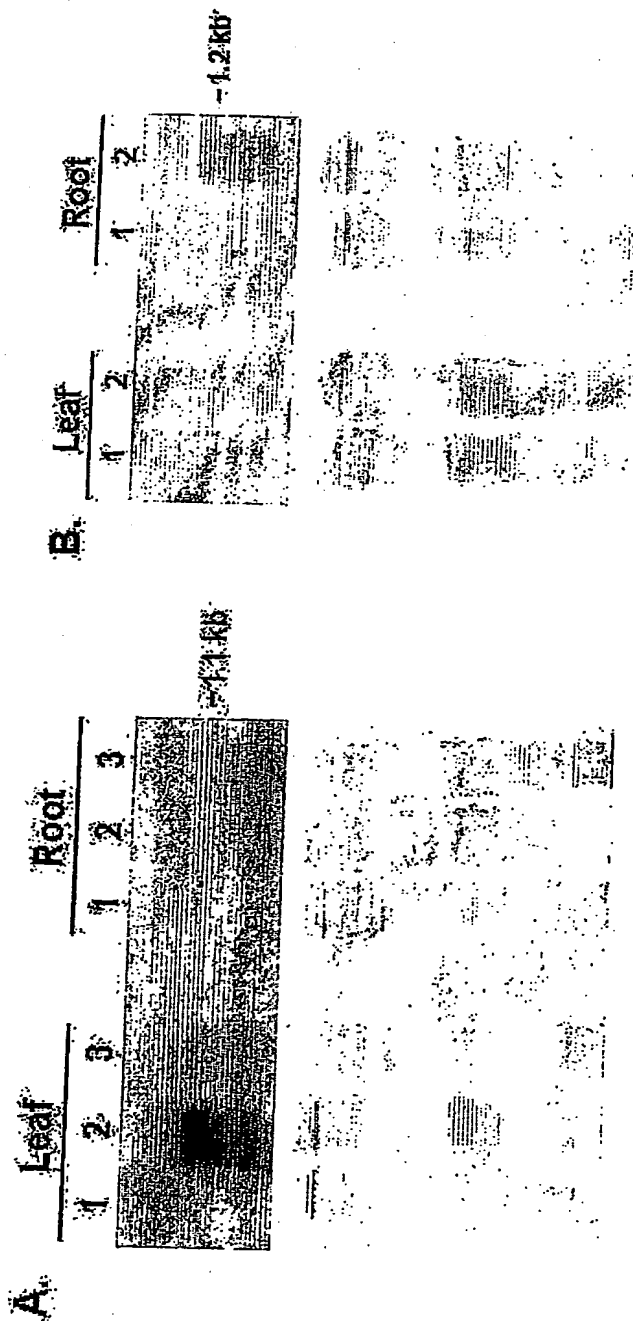


FIGURE 6

13/108

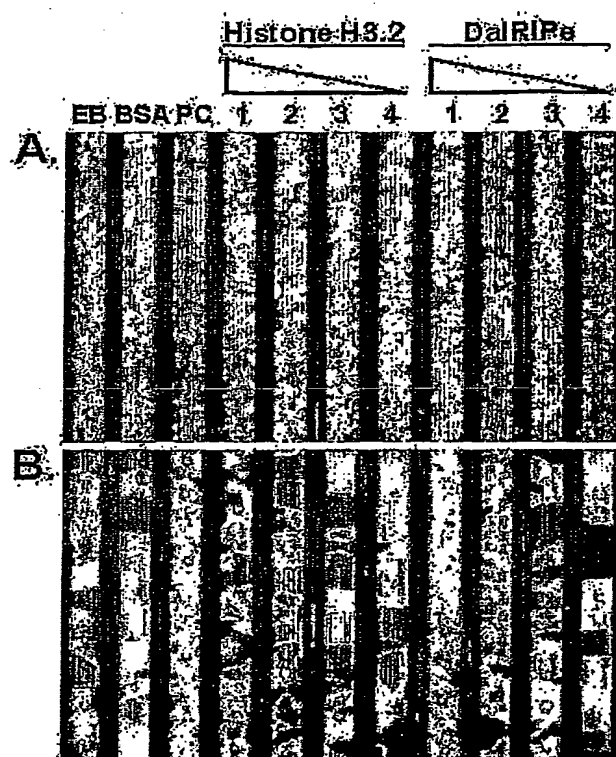


FIGURE 7

14/108

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIPa.1	:	GATTACTATAGGGCACGCGTGGT	CGACGGCCGGGCTGGTATCGTCCTTGCATTAGGCCG	:	60		
DaIRIPa.2	:	GATTACTATAGGGCACGCGTGGT	CGACGGCCGGGCTGGTATCGTCCTTGCATTAGGCCG	:	60		
DaIRIPa.3	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.4	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.5	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.6	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.7	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.8	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.9	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.10	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.11	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.12	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.13	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.14	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.15	:	-----	-----	:	-		

	*	80	*	100	*	120	
DaIRIPa.1	:	GTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATGTCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTA	:	120			
DaIRIPa.2	:	GTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATGTCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTA	:	120			
DaIRIPa.3	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.4	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.5	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.6	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.7	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.8	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.9	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.10	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.11	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.12	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.13	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.14	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.15	:	-----	-----	:	-		

	*	140	*	160	*	180	
DaIRIPa.1	:	TTTTGAAGTCTGCGTAATAAAATCTTCCTAGGATATTTGCATGGTATCACTCAATTATTA	:	180			
DaIRIPa.2	:	TTTTGAAGTCTGCGTAATAAAATCTTCCTAGGATATTTGCATGGTATCACTCAATTATTA	:	180			
DaIRIPa.3	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.4	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.5	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.6	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.7	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.8	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.9	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.10	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.11	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.12	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.13	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.14	:	-----	-----	:	-		
DaIRIPa.15	:	-----	-----	:	-		

FIGURE 8

15/108

	*	200	*	220	*	240	
DaIRIPa.1 :		CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACC		TCTCCAGCGCAGTCCAATCCTACATGTGGT		FA	: 240
DaIRIPa.2 :		CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACC		TCTCCAGCACAGTCCAATCCTACATGTGGT		TA	: 240
DaIRIPa.3 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.4 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.5 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.6 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.7 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.8 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.9 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.10 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.11 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.12 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.13 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.14 :		-----		-----		-----	: -
DaIRIPa.15 :		-----		-----		-----	: -

	*	260	*	280	*	300	
DaIRIPa.1 :		GCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA					: 300
DaIRIPa.2 :		GCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA					: 300
DaIRIPa.3 :		-----		CGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA			: 26
DaIRIPa.4 :		-----		CGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA			: 26
DaIRIPa.5 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.6 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.7 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.8 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.9 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.10 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.11 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.12 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.13 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.14 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.15 :		-----		-----			: -

	*	320	*	340	*	360	
DaIRIPa.1 :		AAAACCAAGTTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA					: 360
DaIRIPa.2 :		AAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA					: 360
DaIRIPa.3 :		AAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA					: 86
DaIRIPa.4 :		AAAACCAAGTTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA					: 86
DaIRIPa.5 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.6 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.7 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.8 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.9 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.10 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.11 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.12 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.13 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.14 :		-----		-----			: -
DaIRIPa.15 :		-----		-----			: -

FIGURE 8 (cont.)

16/108

		*	380	*	400	*	420	
DaIRIPa.1	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA						: 420
DaIRIPa.2	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA						: 420
DaIRIPa.3	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA						: 146
DaIRIPa.4	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA						: 146
DaIRIPa.5	:	-----						: -
DaIRIPa.6	:	-----						: -
DaIRIPa.7	:	-----						: -
DaIRIPa.8	:	-----						: -
DaIRIPa.9	:	-----						: -
DaIRIPa.10	:	-----						: -
DaIRIPa.11	:	-----						: -
DaIRIPa.12	:	-----						: -
DaIRIPa.13	:	-----						: -
DaIRIPa.14	:	-----						: -
DaIRIPa.15	:	-----						: -
		*	440	*	460	*	480	
DaIRIPa.1	:	GCAGTTTTTAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 480
DaIRIPa.2	:	GCAGTTTTTAACAACAACGCTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 480
DaIRIPa.3	:	GCAGTTTTTAACAACAACGCTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 206
DaIRIPa.4	:	GCAGTTTTTAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 206
DaIRIPa.5	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 42
DaIRIPa.6	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 42
DaIRIPa.7	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 42
DaIRIPa.8	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 42
DaIRIPa.9	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 42
DaIRIPa.10	:	-----ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT						: 42
DaIRIPa.11	:	-----						: -
DaIRIPa.12	:	-----						: -
DaIRIPa.13	:	-----						: -
DaIRIPa.14	:	-----						: -
DaIRIPa.15	:	-----						: -
		*	500	*	520	*	540	
DaIRIPa.1	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 540
DaIRIPa.2	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 540
DaIRIPa.3	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 266
DaIRIPa.4	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 266
DaIRIPa.5	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 102
DaIRIPa.6	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 102
DaIRIPa.7	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 102
DaIRIPa.8	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 102
DaIRIPa.9	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 102
DaIRIPa.10	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT						: 102
DaIRIPa.11	:	-----						: -
DaIRIPa.12	:	-----						: -
DaIRIPa.13	:	-----						: -
DaIRIPa.14	:	-----						: -
DaIRIPa.15	:	-----						: -

FIGURE 8 (cont.)

17/108

		*	560	*	580	*	600	
DaIRIPa.1	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	600				
DaIRIPa.2	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	600				
DaIRIPa.3	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	326				
DaIRIPa.4	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	326				
DaIRIPa.5	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.6	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.7	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.8	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.9	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.10	:	CTCAGCATTCCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC	:	162				
DaIRIPa.11	:	-----	:	-				
DaIRIPa.12	:	-----	:	-				
DaIRIPa.13	:	-----	:	-				
DaIRIPa.14	:	-----	:	-				
DaIRIPa.15	:	-----	:	-				

		*	620	*	640	*	660	
DaIRIPa.1	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	660				
DaIRIPa.2	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	660				
DaIRIPa.3	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	386				
DaIRIPa.4	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	386				
DaIRIPa.5	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.6	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.7	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.8	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.9	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.10	:	GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG	:	222				
DaIRIPa.11	:	-----	:	-				
DaIRIPa.12	:	-----	:	-				
DaIRIPa.13	:	-----	:	-				
DaIRIPa.14	:	-----	:	-				
DaIRIPa.15	:	-----	:	-				

		*	680	*	700	*	720	
DaIRIPa.1	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	720				
DaIRIPa.2	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	720				
DaIRIPa.3	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	446				
DaIRIPa.4	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	446				
DaIRIPa.5	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	282				
DaIRIPa.6	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	282				
DaIRIPa.7	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	282				
DaIRIPa.8	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	282				
DaIRIPa.9	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	282				
DaIRIPa.10	:	GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCCGT	:	282				
DaIRIPa.11	:	-----GCAAGCGGCCCGT	:	14				
DaIRIPa.12	:	-----	:	-				
DaIRIPa.13	:	-----	:	-				
DaIRIPa.14	:	-----	:	-				
DaIRIPa.15	:	-----	:	-				

FIGURE 8 (cont.)

18/108

	*	740	*	760	*	780	
DaIRIPa.1 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 780
DaIRIPa.2 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 780
DaIRIPa.3 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 506
DaIRIPa.4 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 506
DaIRIPa.5 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 342
DaIRIPa.6 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 342
DaIRIPa.7 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 342
DaIRIPa.8 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 342
DaIRIPa.9 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 342
DaIRIPa.10 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 342
DaIRIPa.11 :		CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGG					: 74
DaIRIPa.12 :		-----GGAGCATCCTTGGG					: 14
DaIRIPa.13 :		-----					: -
DaIRIPa.14 :		-----					: -
DaIRIPa.15 :		-----					: -

	*	800	*	820	*	840	
DaIRIPa.1 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 840
DaIRIPa.2 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 840
DaIRIPa.3 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 566
DaIRIPa.4 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 566
DaIRIPa.5 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 402
DaIRIPa.6 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 402
DaIRIPa.7 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 402
DaIRIPa.8 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 402
DaIRIPa.9 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 402
DaIRIPa.10 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 402
DaIRIPa.11 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 134
DaIRIPa.12 :		GGGCCTCGTGCAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACAACCTTGCCGAACAACCGAATAGAAT					: 74
DaIRIPa.13 :		-----					: -
DaIRIPa.14 :		-----					: -
DaIRIPa.15 :		-----					: -

	*	860	*	880	*	900	
DaIRIPa.1 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 900
DaIRIPa.2 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 900
DaIRIPa.3 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 626
DaIRIPa.4 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 626
DaIRIPa.5 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 462
DaIRIPa.6 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 462
DaIRIPa.7 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 462
DaIRIPa.8 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 462
DaIRIPa.9 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 462
DaIRIPa.10 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 462
DaIRIPa.11 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 194
DaIRIPa.12 :		ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA					: 134
DaIRIPa.13 :		-----					: -
DaIRIPa.14 :		-----					: -
DaIRIPa.15 :		-----					: -

FIGURE 8 (cont.)

19/108

	*	920	*	940	*	960	
DaIRIPa.1	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	960			
DaIRIPa.2	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	960			
DaIRIPa.3	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	686			
DaIRIPa.4	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	686			
DaIRIPa.5	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	522			
DaIRIPa.6	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	522			
DaIRIPa.7	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	522			
DaIRIPa.8	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	522			
DaIRIPa.9	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGA	:	500			
DaIRIPa.10	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	522			
DaIRIPa.11	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	254			
DaIRIPa.12	:	CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	194			
DaIRIPa.13	:	-----GGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	26			
DaIRIPa.14	:	-----GGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	26			
DaIRIPa.15	:	-----GGGAGCTTCAACACTGTCGTAATTGG	:	25			

	*	980	*	1000	*	1020	
DaIRIPa.1	:	GAGTGACAAATATCATA-----	:	976			
DaIRIPa.2	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGA	:	1004			
DaIRIPa.3	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	746			
DaIRIPa.4	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	746			
DaIRIPa.5	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	582			
DaIRIPa.6	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	582			
DaIRIPa.7	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	582			
DaIRIPa.8	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	582			
DaIRIPa.9	:	-----	:	-			
DaIRIPa.10	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	582			
DaIRIPa.11	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	314			
DaIRIPa.12	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	254			
DaIRIPa.13	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	86			
DaIRIPa.14	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	86			
DaIRIPa.15	:	GAGTGACAAATATCATAACCGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC	:	85			

	*	1040	*	1060	*	1080	
DaIRIPa.1	:	-----	:	-			
DaIRIPa.2	:	-----	:	-			
DaIRIPa.3	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	806			
DaIRIPa.4	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	806			
DaIRIPa.5	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	642			
DaIRIPa.6	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	642			
DaIRIPa.7	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	642			
DaIRIPa.8	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	642			
DaIRIPa.9	:	-----	:	-			
DaIRIPa.10	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	642			
DaIRIPa.11	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	374			
DaIRIPa.12	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	314			
DaIRIPa.13	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	146			
DaIRIPa.14	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	146			
DaIRIPa.15	:	TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT	:	145			

FIGURE 8 (cont.)

20/108

	*	1100	*	1120	*	1140	
DaIRIPa.1	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.2	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.3	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT	:	-----	:	-----	866
DaIRIPa.4	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT	:	-----	:	-----	866
DaIRIPa.5	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT	:	-----	:	-----	702
DaIRIPa.6	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT	:	-----	:	-----	702
DaIRIPa.7	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT	:	-----	:	-----	702
DaIRIPa.8	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT	:	-----	:	-----	702
DaIRIPa.9	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.10	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.11	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT	:	-----	:	-----	434
DaIRIPa.12	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACAAAGT	:	-----	:	-----	374
DaIRIPa.13	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT	:	-----	:	-----	206
DaIRIPa.14	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT	:	-----	:	-----	206
DaIRIPa.15	:	ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT	:	-----	:	-----	205

	*	1160	*	1180	*	1200	
DaIRIPa.1	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.2	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.3	:	CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	905
DaIRIPa.4	:	CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	905
DaIRIPa.5	:	CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	762
DaIRIPa.6	:	CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	762
DaIRIPa.7	:	CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	762
DaIRIPa.8	:	CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	762
DaIRIPa.9	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.10	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.11	:	CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	473
DaIRIPa.12	:	CGT-----GACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	413
DaIRIPa.13	:	CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	266
DaIRIPa.14	:	CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	266
DaIRIPa.15	:	CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAGTGTAGGATTGTC	:	-----	:	-----	265

	*	1220	*	1240	*	1260	
DaIRIPa.1	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.2	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.3	:	TCCACCT-----	:	-----	:	-----	912
DaIRIPa.4	:	TCCACCT-----	:	-----	:	-----	912
DaIRIPa.5	:	TCCACCT-----	:	-----	:	-----	769
DaIRIPa.6	:	TCCACCT-----	:	-----	:	-----	769
DaIRIPa.7	:	TCCACCT-----	:	-----	:	-----	769
DaIRIPa.8	:	TCCACCT-----	:	-----	:	-----	769
DaIRIPa.9	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.10	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.11	:	TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA	:	-----	:	-----	533
DaIRIPa.12	:	TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA	:	-----	:	-----	473
DaIRIPa.13	:	TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA	:	-----	:	-----	326
DaIRIPa.14	:	TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA	:	-----	:	-----	326
DaIRIPa.15	:	TCCACCTGAGCTCACCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA	:	-----	:	-----	325

FIGURE 8 (cont.)

21/108

	*	1280	*	1300	*	1320	
DaIRIPa.1	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.2	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.3	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.4	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.5	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.6	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.7	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.8	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.9	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.10	:	-----	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.11	:	ATCGCGGCATGTAAC TTCATGGATGGATATAGCATCATTTTCCCACTTTAAATAAAATTT	:		:		593
DaIRIPa.12	:	ATCGCGGCATGTAAC TTCATGGATGGATATAGCATCATTTTCCCACTTTAAATAAAATTT	:		:		533
DaIRIPa.13	:	ATCGCGGCATGTAAC TTCATGGATGGATATAGCATCATTTTCCCACTTTAAATAAAATTT	:		:		386
DaIRIPa.14	:	ATCGCGGCATGTAAC TTCATGGATGGATATAGCATCATTTTCCCACTTTAAATAAAATTT	:		:		386
DaIRIPa.15	:	ATCGCGGCATGTAAC TTCATGGATGGATATAGCATCATTTTCCCACTTTAAATAAAATTT	:		:		385

	*	1340	*	1360	
DaIRIPa.1	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.2	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.3	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.4	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.5	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.6	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.7	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.8	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.9	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.10	:	-----	:	-----	-
DaIRIPa.11	:	GCCTCGTGGATGTTTACAGAAAAA	:		638
DaIRIPa.12	:	GCCTCGTGGATGTTTACAGAAAAA	:		578
DaIRIPa.13	:	GCCTCGTGGATGTTTAAAAAAGAAAAA	:		431
DaIRIPa.14	:	GCCTCGTGGATGTTTAAAAAAGAAAAA	:		431
DaIRIPa.15	:	GCCTCGTGGATGTTTAAAAAAGAAAAA	:		430

FIGURE 8 (cont.)

22/108

DaIRIPa : * 20 * 40 * 60
 GATTACTATAGGGCACGCGTGGTTCGACGGCCCCGGGCTGGTATCGTCCTTGCATTAGGCCG : 60

DaIRIPa : * 80 * 100 * 120
 GTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATGTCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTA : 120

DaIRIPa : * 140 * 160 * 180
 TTTTGAAGTCTGCGTAATAAAATCTTCCTAGGATATTGCATGGTATCACTCAATTATTA : 180

DaIRIPa : * 200 * 220 * 240
 CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCRCAGCTCCAATCCTACATGTGGTA : 240

DaIRIPa : * 260 * 280 * 300
 GCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCAGTCGACAGAAAACACCA : 300

DaIRIPa : * 320 * 340 * 360
 AAAACCAAGYTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA : 360

DaIRIPa : * 380 * 400 * 420
 CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAA : 420

DaIRIPa : * 440 * 460 * 480
 GCAGTTTTTAAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAGGTTTCTTGCCGAAT : 480

DaIRIPa : * 500 * 520 * 540
 CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTGTGCTGCTCTT : 540

DaIRIPa : * 560 * 580 * 600
 CTCAGCATTCTCTTGCCGGCAGCGAGCGCTACGGCGTGCCACTCCCGTGACCTCCGCGC : 600

DaIRIPa : * 620 * 640 * 660
 GCTGCAGGGCTTCGCTAGGAACCTCGGCGGCGTCGGGGGCGTCCTCCTCCGTGCCGCGTG : 660

DaIRIPa : * 680 * 700 * 720
 GTCCGGTGACGGGTGCTGCGACTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGT : 720

DaIRIPa : * 740 * 760 * 780
 CACTACGTTGCAGCTACCCACGCGTGGCCTCGCGGGGCCATCCCCGGAGCATCCTTGGC : 780

DaIRIPa : * 800 * 820 * 840
 GGGCCTCGTGAGCATGTGAAGGGTAACAGGAGAACACTTGCCGAACAACCGAATAGAAT : 840

FIGURE 9

23/108

DaIRIPa : * 860 * 880 * 900
 ATCGGGGACCAACAACAGTGTGAGGTTTGGGAGAAACAATGCTCTTGCCGGGAATGACAA : 900

DaIRIPa : * 920 * 940 * 960
 CACCGTCATATCTGGGAATAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTCAACACTGTTCGTAATTGG : 960

DaIRIPa : * 980 * 1000 * 1020
 GAGTGACAATATCATAACCGTAGCAAGCATGTTCGTATCTGGGAGGAAACATATCGTAAC : 1020

DaIRIPa : * 1040 * 1060 * 1080
 TGATAACAACAACAAAGTATCCGGGAATGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCACACCGT : 1080

DaIRIPa : * 1100 * 1120 * 1140
 ATCCGGGAGCCACAACACCGTATCCGGGAGCAACAATACCGTTTCCGGGAGCAACCATGT : 1140

DaIRIPa : * 1160 * 1180 * 1200
 CGTGTCTGGGAGCAACAAAGTCGTGACAGGAGGTTAATTATGTGTCAAGTGTAGGATTGTC : 1200

DaIRIPa : * 1220 * 1240 * 1260
 TCCACCTGAGCTCACCCCTTGTCCAAATTGAGTCTAGCTCACAATCAGTTGGTGGGGCCA : 1260

DaIRIPa : * 1280 * 1300 * 1320
 ATCGCGGCATGTAACCTTCATGGATGGATATAGCATCATTTTCCCACTTTAAATAAAATTT : 1320

DaIRIPa : * 1340 * 1360
 GCCTCGTGGATGTCTAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 1365

FIGURE 9 (cont.)

24/108

DaIRIPa : MALKCGLLLLLFSAFLLPAASATACHSRDLRALQGFARNLGGVGGVLLRAAWSGDGCCDWE : 60

DaIRIPa : GVGCDGASGRVTTLQLPTRGLAGPIPGASLAGLVQHVKGNRRTLAEQPNRISGTNNSVRF : 120

DaIRIPa : GRNNALAGNDNTVISGNNNTVSGSFNTVVIGSDNIITGSKHVVSGRKHIVTDNNNKVSGN : 180

DaIRIPa : DNNVSGSFHTVSGSHNTVSGSNNTVSGSNHVVSNGKVVTTGG : 222

FIGURE 10

25/108

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIPb.1 :	AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC						: 60
DaIRIPb.2 :	AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC						: 60
DaIRIPb.3 :	AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC						: 60

	*	80	*	100	*	120	
DaIRIPb.1 :	GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACCTGGCGACAACAAT						:120
DaIRIPb.2 :	GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACCTGGCGACAACAAT						:120
DaIRIPb.3 :	GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACCTGGCGACAACAAT						:120

	*	140	*	160	*	180	
DaIRIPb.1 :	GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT						:180
DaIRIPb.2 :	GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT						:180
DaIRIPb.3 :	GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT						:180

	*	200	*	220	*	240	
DaIRIPb.1 :	AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC						:240
DaIRIPb.2 :	AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC						:240
DaIRIPb.3 :	AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC						:240

	*	260	*	280	*	300	
DaIRIPb.1 :	AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT						:300
DaIRIPb.2 :	AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT						:300
DaIRIPb.3 :	AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT						:300

	*	320	*	340	*	360	
DaIRIPb.1 :	TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTACCTCACA						:360
DaIRIPb.2 :	TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTACCTCACA						:360
DaIRIPb.3 :	TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTACCTCACA						:360

	*	380	*	400	*	420	
DaIRIPb.1 :	GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT						:420
DaIRIPb.2 :	GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT						:420
DaIRIPb.3 :	GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT						:420

	*	440	
DaIRIPb.1 :	TTAAATAAACTCCCTTAAAAACAAAAA		: 449
DaIRIPb.2 :	TTAAATAAACTCCCTTAAAAACAAAAA		: 449
DaIRIPb.3 :	TTAAATAAACTCCCTTAAAAACAAAAA		: 449

FIGURE 11

26/108

DaIRIPb : AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACAACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC : 60

DaIRIPb : GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACCTGGCGACAACAAT : 120

DaIRIPb : GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT : 180

DaIRIPb : AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC : 240

DaIRIPb : AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT : 300

DaIRIPb : TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTAACCTCACA : 360

DaIRIPb : GTCACCTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACCTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT : 420

DaIRIPb : TTAAATAAACTCCCTTAAAAAACAAAAA : 449

FIGURE 12

27/108

DaIRIPb : NSNVVTGNHNTLLRGSDDNAVSGSKHVVSCTHHVVTGDNNAVTRNHNTVSGSHNTVPESH : 60

DaIRIPb : NTVSGSEHTVSGSHNTVSGSNHIVSGNNKVVT : 92

FIGURE 13

28/108

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIPd.1 :	CTGGTATTTTGTCTCTGCGTGCACTGGAACCTGAGGCGCACGGTATCACTCACTTAT						60
DaIRIPd.2 :	-----						-
DaIRIPd.3 :	-----						-
DaIRIPd.4 :	-----						-
DaIRIPd.5 :	-----						-
DaIRIPd.6 :	-----						-
DaIRIPd.7 :	-----						-

	*	80	*	100	*	120	
DaIRIPd.1 :	ACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCCTATATGCGG						120
DaIRIPd.2 :	-----						-
DaIRIPd.3 :	-----						-
DaIRIPd.4 :	-----						-
DaIRIPd.5 :	-----						-
DaIRIPd.6 :	-----						-
DaIRIPd.7 :	-----						-

	*	140	*	160	*	180	
DaIRIPd.1 :	AGCTGACGAAGGGCAGCTTGAGTCCATGCCACCCAGGAATTCAGTCGACAGACAAACAGC						180
DaIRIPd.2 :	-----						-
DaIRIPd.3 :	-----						-
DaIRIPd.4 :	-----						-
DaIRIPd.5 :	-----						-
DaIRIPd.6 :	-----						-
DaIRIPd.7 :	-----						-

	*	200	*	220	*	240	
DaIRIPd.1 :	AAAAACAAAGTTTGAAGTGGGAGGCACCTTGTTGGCCCTTGTGGTCACGGACTAGCTAGTAC						240
DaIRIPd.2 :	-----						-
DaIRIPd.3 :	-----						-
DaIRIPd.4 :	-----						-
DaIRIPd.5 :	-----						-
DaIRIPd.6 :	-----						-
DaIRIPd.7 :	-----						-

	*	260	*	280	*	300	
DaIRIPd.1 :	TGAACCACTTGCAACACATGCTTACACACACACTATAAGTAGCATGTACCACCCAGTAG						300
DaIRIPd.2 :	-----						-
DaIRIPd.3 :	-----						-
DaIRIPd.4 :	-----						-
DaIRIPd.5 :	-----						-
DaIRIPd.6 :	-----						-
DaIRIPd.7 :	-----						-

	*	320	*	340	*	360	
DaIRIPd.1 :	TTTTTAACAACAACACTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAAAGTCCATTCTTGAGTTGCA						360
DaIRIPd.2 :	----- GAGTTGCA						8
DaIRIPd.3 :	-----						-
DaIRIPd.4 :	-----						-
DaIRIPd.5 :	-----						-
DaIRIPd.6 :	-----						-
DaIRIPd.7 :	-----						-

FIGURE 14

29/108

		*	380	*	400	*	420	
DaIRIPd.1 :	TACCACAGCTGAATCCATGGCGCCGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTCTCGGCGTTCCCT							: 420
DaIRIPd.2 :	TACCACAGCTGAATCCATGGCGCCGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTCTCGGCGTTCCCT							: 68
DaIRIPd.3 :	-----							: -
DaIRIPd.4 :	-----							: -
DaIRIPd.5 :	-----							: -
DaIRIPd.6 :	-----							: -
DaIRIPd.7 :	-----							: -
		*	440	*	460	*	480	
DaIRIPd.1 :	CTTGTCGGCGGCAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCGCTGCAAAGCTT							: 480
DaIRIPd.2 :	CTTGTCGGCGGCAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCGCTGCAAAGCTT							: 128
DaIRIPd.3 :	-----							: -
DaIRIPd.4 :	-----							: -
DaIRIPd.5 :	-----							: -
DaIRIPd.6 :	-----							: -
DaIRIPd.7 :	-----							: -
		*	500	*	520	*	540	
DaIRIPd.1 :	CGCCGGGAACCTCGGCAGGCCAGGGGGGGTCTCTCCCGCGCGCGTGGTCCGGCGGCTC							: 540
DaIRIPd.2 :	CGCCGGGAACCTCGGCAGGCCAGGGGGGGTCTCTCCCGCGCGCGTGGTCCGGCGGCTC							: 188
DaIRIPd.3 :	-----							: -
DaIRIPd.4 :	-----							: -
DaIRIPd.5 :	-----							: -
DaIRIPd.6 :	-----							: -
DaIRIPd.7 :	-----							: -
		*	560	*	580	*	600	
DaIRIPd.1 :	ATGCTGCCACTGGGAAGGCGTGAGCTGCCAGCGTGCAAGCGCGCGCTCACTGCGTTGCC							: 600
DaIRIPd.2 :	ATGCTGCCACTGGGAAGGCGTGAGCTGCCAGCGTGCAAGCGCGCGCTCACTGCGTTGCC							: 248
DaIRIPd.3 :	-----							: -
DaIRIPd.4 :	-----							: -
DaIRIPd.5 :	-----							: -
DaIRIPd.6 :	-----							: -
DaIRIPd.7 :	-----							: -
		*	620	*	640	*	660	
DaIRIPd.1 :	GCTCCCTACGCGCGGCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA							: 660
DaIRIPd.2 :	GCTCCCTACGCGCGGCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA							: 308
DaIRIPd.3 :	-----							: -
DaIRIPd.4 :	-----							: -
DaIRIPd.5 :	-----							: -
DaIRIPd.6 :	-----GCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA							: 38
DaIRIPd.7 :	-----GCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA							: 38
		*	680	*	700	*	720	
DaIRIPd.1 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC							: 720
DaIRIPd.2 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC							: 368
DaIRIPd.3 :	-----							: -
DaIRIPd.4 :	-----							: -
DaIRIPd.5 :	-----							: -
DaIRIPd.6 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC							: 98
DaIRIPd.7 :	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC							: 98

FIGURE 14 (cont.)

30/108

```

      *           740           *           760           *           780
DaIRIPd.1 : TGGGAGCA----- : 728
DaIRIPd.2 : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 428
DaIRIPd.3 : ---GAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 57
DaIRIPd.4 : ---AGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 56
DaIRIPd.5 : ---AGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 56
DaIRIPd.6 : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 158
DaIRIPd.7 : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 158

```

```

      *           800           *           820           *           840
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCAQAACCGGTAGCAA : 488
DaIRIPd.3 : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAAACCGGTAGCAA : 117
DaIRIPd.4 : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAAACCGGTAGCAA : 116
DaIRIPd.5 : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAAACCGGTAGCAA : 116
DaIRIPd.6 : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAAACCGGTAGCAA : 218
DaIRIPd.7 : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAACCTGGGAGTGATAATACCATAAACCGGTAGCAA : 218

```

```

      *           860           *           880           *           900
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : CCATGTCGTGTCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAACCGGGCA : 548
DaIRIPd.3 : CCATGTCGTGTCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAACCGGGCA : 177
DaIRIPd.4 : CCATGTCGTGTCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAACCGGGCA : 176
DaIRIPd.5 : CCATGTCGTGTCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAACCGGGCA : 176
DaIRIPd.6 : CCATGTCGTGTCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAACCGGGCA : 278
DaIRIPd.7 : CCATGTCGTGTCTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACAACGCCGTAACCGGGCA : 278

```

```

      *           920           *           940           *           960
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 608
DaIRIPd.3 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 237
DaIRIPd.4 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 236
DaIRIPd.5 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 236
DaIRIPd.6 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 338
DaIRIPd.7 : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 338

```

```

      *           980           *           1000           *           1020
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 668
DaIRIPd.3 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 297
DaIRIPd.4 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 296
DaIRIPd.5 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 296
DaIRIPd.6 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 398
DaIRIPd.7 : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCGTGTCTGTCTCCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 398

```

```

      *           1040           *           1060           *           1080
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTC----- : 702
DaIRIPd.3 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 357
DaIRIPd.4 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 356
DaIRIPd.5 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 356
DaIRIPd.6 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 458
DaIRIPd.7 : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 458

```

FIGURE 14 (cont.)

31/108

```

          *      1100          *      1120          *      1140
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : ----- : -
DaIRIPd.3 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 417
DaIRIPd.4 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 416
DaIRIPd.5 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 416
DaIRIPd.6 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 518
DaIRIPd.7 : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 518

```

```

          *      1160          *      1180          *      1200
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : ----- : -
DaIRIPd.3 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 477
DaIRIPd.4 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 476
DaIRIPd.5 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 476
DaIRIPd.6 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 578
DaIRIPd.7 : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 578

```

```

          *      1220
DaIRIPd.1 : ----- : -
DaIRIPd.2 : ----- : -
DaIRIPd.3 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 498
DaIRIPd.4 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 497
DaIRIPd.5 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 497
DaIRIPd.6 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 599
DaIRIPd.7 : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 599

```

FIGURE 14 (cont.)

32/108

DaIRIPd : CTGGTATTTGTTTCTCTGCGTGCCTGGAAGTGTAGGCGCACGGTATCACTCACTTATT : 60
 DaIRIPd : ACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCTATATGCGGT : 120
 DaIRIPd : AGCTGACGAAGGGCAGCTTGAGTCCATGCCACCCACGAATTTTCAGTCGACAGACAACACC : 180
 DaIRIPd : AAAACAAAGTTTGAAGTGGGAGGCACCTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGCTAGTAC : 240
 DaIRIPd : TGAACCACTTGCAACACATGCTTACACACACTATAAGTAGCATGTACCACCCAAGTAG : 300
 DaIRIPd : TTTTAAACAACAACACTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAAAGTCCATTCTGAGTTGCA : 360
 DaIRIPd : TACCACAGCTGAATCCATGGCGCGGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTCTCGGCGTTCCT : 420
 DaIRIPd : CTTGTGGCGGCGAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCGCTGCAAAGCTT : 480
 DaIRIPd : CGCCGGGAACCTCGGCAGCCCAGGGGGGGTCTCTCCCGCGCGCGTGGTCCGGCGCCTC : 540
 DaIRIPd : ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGCCGCGTCACTGCGTTGCG : 600
 DaIRIPd : GCTCCCTACGCGCGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA : 660
 DaIRIPd : CAGGAGAACAATTGCCGTACAACCGAATAACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC : 720
 DaIRIPd : TGGGAGCAACAATGTTGTTTCCGGGAACGACAACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT : 780
 DaIRIPd : TGTGTCTGGGAGCTACAACACCGTCGTAAGTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA : 840

FIGURE 15

33/108

DaIRIPd : CCATGTCGTGCTGTTGGGAAGAACCATATCGTAACCGACAACAACACGCCGTAACCGGGCA : 900

DaIRIPd : CGACAATAATGTATCCGGGAGCTTCCATACCGTATCCGGGAACCACAACACAGTATCTGG : 960

DaIRIPd : GAGCAATAATACTGTATCAGGGAGCAACCATGTTCGTGTCGGGAGCAACAAAGTCGTGAC : 1020

DaIRIPd : AGGAGGTTAATGATATGTCCGTGCAGGATGCTTCCATGTTCCCTAAAGGAGATCGCGGCA : 1080

DaIRIPd : TTGTACAAGTTTTGTGTAGCTCACAATCACTTGGTGGGACCAATCGCGATGTCATGTAAC : 1140

DaIRIPd : TTCATGGATATAGCATCCTTTTCCCTAATTTAAATAAAGTTTGCCTTGTGGAAAAAAAAAA : 1200

DaIRIPd : AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 1221

FIGURE 15 (cont.)

34/108

DaIRIPd : MAPKCWLLLLLFSAFLLSAAGATSCHPDDLRLALQSFAGNLGSPGGVLPRAAWSGASCCDWE : 60

DaIRIPd : GVSCDGASGRVTALRLPTRGLGASLAGLTRHVKGNNRRTLAVQPNTITGTNNNVRSNNSNV : 120

DaIRIPd : VSGNDNTVISGNRNIVSGSYNTVVTGSDNTITGSNHVVSGKNHIVTDNNNAVTHGHDNNVS : 180

DaIRIPd : GSFHTVSGNHNNTVSGSNNTVSGSNEVVSGSNKVVTTGG : 217

FIGURE 16

35/108

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIpe.7.1 :	GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACTTACACACACACGCACAC						: 60
DaIRIpe.7.2 :	GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACTTACACACACACGCACAC						: 60
DaIRIpe.7.3 :	-----						: -
DaIRIpe.7.4 :	-----						: -
DaIRIpe.7.5 :	-----						: -

	*	80	*	100	*	120	
DaIRIpe.7.1 :	ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT TAGCCAAGGAACACTTGCGAATCACTT						: 120
DaIRIpe.7.2 :	ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT TAGCCAAGGAACACTTGCGAATCACTT						: 120
DaIRIpe.7.3 :	-----						: -
DaIRIpe.7.4 :	-----						: -
DaIRIpe.7.5 :	-----						: -

	*	140	*	160	*	180	
DaIRIpe.7.1 :	GCATTCCAAAGAAGGTTTCCTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG						: 180
DaIRIpe.7.2 :	GCATTCCAAAGAAGGTTTCCTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG						: 180
DaIRIpe.7.3 :	-----						: -
DaIRIpe.7.4 :	-----						: -
DaIRIpe.7.5 :	-----						: -

	*	200	*	220	*	240	
DaIRIpe.7.1 :	CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGCGGTTACCCCTTGCCCTGCC						: 240
DaIRIpe.7.2 :	CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGCGGTTACCCCTTGCCCTGCC						: 240
DaIRIpe.7.3 :	-----						: -
DaIRIpe.7.4 :	-----						: -
DaIRIpe.7.5 :	-----						: -

	*	260	*	280	*	300	
DaIRIpe.7.1 :	GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCGGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAC						: 300
DaIRIpe.7.2 :	GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCGGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAC						: 300
DaIRIpe.7.3 :	-----						: -
DaIRIpe.7.4 :	-----						: -
DaIRIpe.7.5 :	-----						: -

	*	320	*	340	*	360	
DaIRIpe.7.1 :	CTGAGCGGCGGGGTGTCTCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG						: 360
DaIRIpe.7.2 :	CTGAGCGGCGGGGTGTCTCTCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG						: 360
DaIRIpe.7.3 :	-----						: 8
DaIRIpe.7.4 :	-----						: 8
DaIRIpe.7.5 :	-----						: 8

	*	380	*	400	*	420	
DaIRIpe.7.1 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC						: 420
DaIRIpe.7.2 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC						: 420
DaIRIpe.7.3 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC						: 68
DaIRIpe.7.4 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC						: 68
DaIRIpe.7.5 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC						: 68

FIGURE 17

36/108

	*	440	*	460	*	480	
DaIRIpe.7.1 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC						: 480
DaIRIpe.7.2 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC						: 480
DaIRIpe.7.3 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC						: 128
DaIRIpe.7.4 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC						: 128
DaIRIpe.7.5 :	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC						: 128
	*	500	*	520	*	540	
DaIRIpe.7.1 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC						: 540
DaIRIpe.7.2 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC						: 540
DaIRIpe.7.3 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC						: 188
DaIRIpe.7.4 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC						: 188
DaIRIpe.7.5 :	TTCAAGCGTAACAGAAGAAGCACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC						: 188
	*	560	*	580	*	600	
DaIRIpe.7.1 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA						: 600
DaIRIpe.7.2 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA						: 600
DaIRIpe.7.3 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA						: 248
DaIRIpe.7.4 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA						: 248
DaIRIpe.7.5 :	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA						: 248
	*	620	*	640	*	660	
DaIRIpe.7.1 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGTGTCAACAACACTGTG						: 660
DaIRIpe.7.2 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGTGTCAACAACACTGTG						: 660
DaIRIpe.7.3 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGTGTCAACAACACTGTG						: 308
DaIRIpe.7.4 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGTGTCAACAACACTGTG						: 308
DaIRIpe.7.5 :	AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGTGTCAACAACACTGTG						: 308
	*	680	*	700	*	720	
DaIRIpe.7.1 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACCTGACGACAACAATGAC						: 720
DaIRIpe.7.2 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACCTGACGACAACAATGAC						: 720
DaIRIpe.7.3 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACCTGACGACAACAATGAC						: 368
DaIRIpe.7.4 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACCTGACGACAACAATGAC						: 368
DaIRIpe.7.5 :	TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACCTGACGACAACAATGAC						: 368
	*	740	*	760	*	780	
DaIRIpe.7.1 :	GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT						: 780
DaIRIpe.7.2 :	GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT						: 780
DaIRIpe.7.3 :	GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT						: 428
DaIRIpe.7.4 :	GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT						: 428
DaIRIpe.7.5 :	GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT						: 428
	*	800	*	820	*	840	
DaIRIpe.7.1 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC						: 840
DaIRIpe.7.2 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC						: 840
DaIRIpe.7.3 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC						: 488
DaIRIpe.7.4 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC						: 488
DaIRIpe.7.5 :	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC						: 488

FIGURE 17 (cont.)

37/108

```

      *           860           *           880           *           900
DaIRIpe.7.1 : ----- : -
DaIRIpe.7.2 : AAAGTCGTGACGGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT : 878
DaIRIpe.7.3 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGGATTGTTCCATCTTCACTAACGAAG : 548
DaIRIpe.7.4 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGGATTGTTCCATCTTCACTAACGAAG : 548
DaIRIpe.7.5 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGGATTGTTCCATCTTCACTAACGAAG : 548

      *           920           *           940           *           960
DaIRIpe.7.1 : ----- : -
DaIRIpe.7.2 : ----- : -
DaIRIpe.7.3 : CTTACGACCTTGTCCTCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 608
DaIRIpe.7.4 : CTTACGACCTTGTCCTCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 608
DaIRIpe.7.5 : CTTACGACCTTGTCCTCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 608

      *           980           *           1000           *           1020
DaIRIpe.7.1 : ----- : -
DaIRIpe.7.2 : ----- : -
DaIRIpe.7.3 : TATGTAAC TTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTTAAATAAAATTCCTTAAATATGC : 668
DaIRIpe.7.4 : TATGTAAC TTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTTAAATAAAATTCCTTAAATATGC : 668
DaIRIpe.7.5 : TATGTAAC TTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTTAAATAAAATTCCTTAAATATGC : 668

      *
DaIRIpe.7.1 : ----- : -
DaIRIpe.7.2 : ----- : -
DaIRIpe.7.3 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 687
DaIRIpe.7.4 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 687
DaIRIpe.7.5 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 687

```

FIGURE 17 (cont.)

38/108

DaIRIpe.7 : GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACCTACACACACACGCACAC : 60

DaIRIpe.7 : ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTTATAGCCAAGGAACACTTGCGAATCACTT : 120

DaIRIpe.7 : GCATTCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG : 180

DaIRIpe.7 : CTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGTTACCCCTTGCCCTGCG : 240

DaIRIpe.7 : GCGAGCGCAACATCGTCCGCCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAC : 300

DaIRIpe.7 : CTGAGCGCGGGGGTGTCTCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG : 360

DaIRIpe.7 : GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC : 420

DaIRIpe.7 : GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCTTGGCGAGCCTCGCACGGCTAGAGGAGCTC : 480

DaIRIpe.7 : TTCAAGCGTAACAGAAGAACAACACTGGAGGAACAGCCAAATACAATTCAAGGGACCAACAAC : 540

DaIRIpe.7 : AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGACAACACTGTCATATCCGGA : 600

DaIRIpe.7 : AACAAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACTATATCGTAACTGGGTGTCACAACACTGTG : 660

DaIRIpe.7 : TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGTAACTGACGACAACAATGAC : 720

DaIRIpe.7 : GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTTCATACCGTATCTGGGAGCCACAAT : 780

DaIRIpe.7 : ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCGTAACCTGGGAGTAAC : 840

FIGURE 18

39/108

DaIRIPe.7 : AAAGTCGTGACAGGAGGTTAATGATCAGTGAGTGATTGTTCCATCTTCACTAACGAAG : 900

DaIRIPe.7 : CTTACGACCTTGTCCAAGTTCAACCTAGAGCTCACAATATCTTGGTGGGGCCAATCGTCT : 960

DaIRIPe.7 : TATGTAACCTTCATGGATGTATCCTCCTTTTCCTACTTTAAATAAATTTCCTTAAATGTC : 1020

DaIRIPe.7 : TTACAAAAAAAAAAAAAAAA : 1039

FIGURE 18 (cont.)

40/108

DaIRIpe.7 : MANCCLLLLFLALPLPAASATSCRPD²⁰DLHALRGFAGNLSGGGVLLRSVWSGDSCCGWEGV : 60

DaIRIpe.7 : GCDSASGRVTAMLLPRHGLAKPVP⁸⁰GASLASLARLEELFKRNRRTLEE¹⁰⁰QPN¹²⁰TIQGTNNNVR : 120

DaIRIpe.7 : DGCYNALSGNDNTVISGNNNTVSGSFNTI¹⁴⁰VTGCHNTVSGSNQVVSGLNHIVTDDNN¹⁶⁰NDVSG : 180

DaIRIpe.7 : NDN²⁰⁰NVSGSFHTVSGSHNTVSGSNNTVSGRNHVV²²⁰TGSNKVV²²³TGG : 223

FIGURE 19

41/108

```

      *           20           *           40           *           60
DaIRIpe.8.1 : ACACACACGCACACACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTTATAGCCAAGGAACA : 60
DaIRIpe.8.2 : ACACACACGCACACACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTTATAGCCAAGGAACA : 60
DaIRIpe.8.3 : ----- : -
DaIRIpe.8.4 : ----- : -
DaIRIpe.8.5 : ----- : -
DaIRIpe.8.6 : ----- : -

      *           80           *           100          *           120
DaIRIpe.8.1 : CTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGTTCGCTCTGTGTATAC : 120
DaIRIpe.8.2 : CTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGTTCGCTCTGTGTATAC : 120
DaIRIpe.8.3 : ----- : -
DaIRIpe.8.4 : ----- : -
DaIRIpe.8.5 : ----- : -
DaIRIpe.8.6 : ----- : -

      *           140          *           160           *           180
DaIRIpe.8.1 : ATAGCGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGGT : 180
DaIRIpe.8.2 : ATAGCGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGGT : 180
DaIRIpe.8.3 : ----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGGT : 56
DaIRIpe.8.4 : ----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGGT : 56
DaIRIpe.8.5 : ----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGGT : 56
DaIRIpe.8.6 : ----CGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAAGTGTCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGGCGGT : 56

      *           200          *           220           *           240
DaIRIpe.8.1 : TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 240
DaIRIpe.8.2 : TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 240
DaIRIpe.8.3 : TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 116
DaIRIpe.8.4 : TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 116
DaIRIpe.8.5 : TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 116
DaIRIpe.8.6 : TACTCTTGCCCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 116

      *           260          *           280           *           300
DaIRIpe.8.1 : GCTTCGCCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCGCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 300
DaIRIpe.8.2 : GCTTCGCCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCGCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 300
DaIRIpe.8.3 : GCTTCGCCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCTCCCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 176
DaIRIpe.8.4 : GCTTCGCCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCTCCCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 176
DaIRIpe.8.5 : GCTTCGCCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCGCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 176
DaIRIpe.8.6 : GCTTCGCCCGGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCTCCCGCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 176

      *           320          *           340           *           360
DaIRIpe.8.1 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTACGACGATGT : 360
DaIRIpe.8.2 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTACGACGATGT : 360
DaIRIpe.8.3 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTACGACGATGT : 235
DaIRIpe.8.4 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTACGACGATGT : 235
DaIRIpe.8.5 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTACGACGATGT : 236
DaIRIpe.8.6 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTACGACGATGT : 236

```

FIGURE 20

42/108

	*	380	*	400	*	420	
DaIRIpe.8.1 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG						: 420
DaIRIpe.8.2 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG						: 420
DaIRIpe.8.3 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG						: 295
DaIRIpe.8.4 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG						: 295
DaIRIpe.8.5 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG						: 296
DaIRIpe.8.6 :	GGCTCCCCAGGCGCGGCCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGGCGGGCGTCACGG						: 296
	*	440	*	460	*	480	
DaIRIpe.8.1 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC						: 480
DaIRIpe.8.2 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC						: 480
DaIRIpe.8.3 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC						: 355
DaIRIpe.8.4 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC						: 355
DaIRIpe.8.5 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC						: 356
DaIRIpe.8.6 :	AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAATACAATTC						: 356
	*	500	*	520	*	540	
DaIRIpe.8.1 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA						: 540
DaIRIpe.8.2 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA						: 540
DaIRIpe.8.3 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA						: 415
DaIRIpe.8.4 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA						: 415
DaIRIpe.8.5 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA						: 416
DaIRIpe.8.6 :	AAGGGACCAACAACAATGTGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGGAATGACAACA						: 416
	*	560	*	580	*	600	
DaIRIpe.8.1 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT						: 600
DaIRIpe.8.2 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT						: 600
DaIRIpe.8.3 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT						: 475
DaIRIpe.8.4 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT						: 475
DaIRIpe.8.5 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT						: 476
DaIRIpe.8.6 :	CTGTCAATATCCGGAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACAATATCGTAACCTGGGT						: 476
	*	620	*	640	*	660	
DaIRIpe.8.1 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG						: 660
DaIRIpe.8.2 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG						: 660
DaIRIpe.8.3 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG						: 535
DaIRIpe.8.4 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG						: 535
DaIRIpe.8.5 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG						: 536
DaIRIpe.8.6 :	GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACCTG						: 536
	*	680	*	700	*	720	
DaIRIpe.8.1 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT						: 720
DaIRIpe.8.2 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT						: 720
DaIRIpe.8.3 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT						: 595
DaIRIpe.8.4 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT						: 595
DaIRIpe.8.5 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT						: 596
DaIRIpe.8.6 :	ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT						: 596

FIGURE 20 (cont.)

43/108

	*	740	*	760	*	780	
DaIRIpe.8.1 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAA		-----			: 751
DaIRIpe.8.2 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAAACCATGTCC					: 780
DaIRIpe.8.3 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAAACCATGTCC					: 655
DaIRIpe.8.4 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAAACCATGTCC					: 655
DaIRIpe.8.5 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAAACCATGTCC					: 656
DaIRIpe.8.6 :		CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAAACCATGTCC					: 656

	*	800	*	820	*	
DaIRIpe.8.1 :		-----				: -
DaIRIpe.8.2 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 832
DaIRIpe.8.3 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 707
DaIRIpe.8.4 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 707
DaIRIpe.8.5 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 708
DaIRIpe.8.6 :		TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT				: 708

FIGURE 20 (cont.)

44/108

DaIRIPe.8 : ACACACACGCACACACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTT TAGCCAAGGAACA : 60

DaIRIPe.8 : CTTGCGAATCACTTGCAATCCAAAGAAGGTTTCTTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATAC : 120

DaIRIPe.8 : ATAGCGTAACACAGCTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTTGCGCT : 180

DaIRIPe.8 : TACTCTTGCTGCGGCGTGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGG : 240

DaIRIPe.8 : GCTTCGCCCGAAACCTGAGCGGCGGGGGTGTCCTCCCCCGCTCCGTGTGGTCCGGTGACT : 300

DaIRIPe.8 : CGTGCTGCGGCTGGGAAGGTGTGGGCTGCGACGACGCAAGCGGCCGGGTCACGACGATGT : 360

DaIRIPe.8 : GGCTCCCCAGGCGCGGCCTCGTGAAGCCCGTCCCCGGAGCATCCTTGCGGGGCGTCACGG : 420

DaIRIPe.8 : AGCTGGAGGAGCTCATCACGCGTAACAGAAGAGCACTGGAGGAACAACCAAATACAATTC : 480

DaIRIPe.8 : AAGGGACCAACAACAATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTCTGGGAATGACAACA : 540

DaIRIPe.8 : CTGTCATATCCGGAAACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACACTATCGTAACTGGGT : 600

DaIRIPe.8 : GTCACAACACTGTGTCTGGTAGCAACCAGGTTGTATCTGGGCTCAACCATATCGTAACTG : 660

DaIRIPe.8 : ACGACAACAATGACGTATCAGGTAACGATAATAATGTATCTGGTAGCTTTCATACCGTAT : 720

DaIRIPe.8 : CTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCATGTCG : 780

DaIRIPe.8 : TAACTGGGAGTAACAAAGTCGTGACAGGTGGTTAATGATCAGTGAGTGGATT : 832

FIGURE 21

45/108

DaIRIpe.8 : MANCCLLLLFLALLLPAAACATSCHPDDLHALRGFAGNLSGGGVLPRSVWSGDSCCGWEGV : 60

DaIRIpe.8 : GCDDASGRVTTMWLPRRGLVKPVP GASLAGVTELEELITRNRRALEE QPNTIQGTNNNVR : 120

DaIRIpe.8 : DGCYNALSGNDNTVISGNNNTVSGSFNTIVTGCHNTVSGSNQVVSGLNHIVTDDNNDVSG : 180

DaIRIpe.8 : NDNVSGSFHTVSGSENTVSGSNNTVSGRNHVVTGSNKVVTGG : 223

FIGURE 22

46/108

		*	20	*	40	*	60	
DaIRIPf.1 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.2 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.3 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.4 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.5 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
DaIRIPf.6 :	CTCCCCAGGCGCGGCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG	:	60					
		*	80	*	100	*	120	
DaIRIPf.1 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.2 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.3 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.4 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.5 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
DaIRIPf.6 :	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120					
		*	140	*	160	*	180	
DaIRIPf.1 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.2 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.3 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.4 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.5 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
DaIRIPf.6 :	GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180					
		*	200	*	220	*	240	
DaIRIPf.1 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.2 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.3 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.4 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.5 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
DaIRIPf.6 :	AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240					
		*	260	*	280	*	300	
DaIRIPf.1 :	TTCAATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.2 :	TTCAATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.3 :	TTCAATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.4 :	TTCAATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.5 :	TTCAATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
DaIRIPf.6 :	TTCAATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT	:	300					
		*	320	*	340	*	360	
DaIRIPf.1 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.2 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.3 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.4 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.5 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					
DaIRIPf.6 :	GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	:	360					

FIGURE 23

47/108

		*	380	*	400	*	420	
DaIRIPf.1 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA							: 420
DaIRIPf.2 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA							: 420
DaIRIPf.3 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA							: 420
DaIRIPf.4 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA							: 420
DaIRIPf.5 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA							: 420
DaIRIPf.6 :	GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCGTA							: 420
		*	440	*	460	*	480	
DaIRIPf.1 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC							: 480
DaIRIPf.2 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC							: 480
DaIRIPf.3 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC							: 480
DaIRIPf.4 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC							: 480
DaIRIPf.5 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC							: 480
DaIRIPf.6 :	ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTCGTATCTAGGACCAACCATGTC							: 480
		*	500	*	520	*	540	
DaIRIPf.1 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC							: 540
DaIRIPf.2 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC							: 540
DaIRIPf.3 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC							: 540
DaIRIPf.4 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC							: 540
DaIRIPf.5 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC							: 540
DaIRIPf.6 :	GTAAGTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC							: 540
		*	560	*	580	*	600	
DaIRIPf.1 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC							: 600
DaIRIPf.2 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC							: 600
DaIRIPf.3 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC							: 600
DaIRIPf.4 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC							: 600
DaIRIPf.5 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC							: 600
DaIRIPf.6 :	ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC							: 600
		*	620	*	640	*	660	
DaIRIPf.1 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC							: 660
DaIRIPf.2 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC							: 660
DaIRIPf.3 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC							: 660
DaIRIPf.4 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC							: 660
DaIRIPf.5 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC							: 660
DaIRIPf.6 :	AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC							: 660
		*	680	*	700	*	720	
DaIRIPf.1 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCGAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG							: 720
DaIRIPf.2 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCGAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG							: 720
DaIRIPf.3 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCGAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG							: 720
DaIRIPf.4 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCGAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG							: 720
DaIRIPf.5 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCGAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG							: 720
DaIRIPf.6 :	GGAGTTCACGTCCTTGTCGAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCCG							: 720

FIGURE 23 (cont.)

48/108

```
          *           740           *           760           *           780
DaIRIPf.1 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.2 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.3 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.4 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.5 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
DaIRIPf.6 : ATTATGTAAC TTCATGGATATAGCATCCTTTTTC TGT TTTAAATAAAAAACCCCTAAACTA : 780
```

```
          *           800           *
DaIRIPf.1 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.2 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.3 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.4 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.5 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
DaIRIPf.6 : TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA : 810
```

FIGURE 23 (cont.)

49/108

DaIRIPf : CTCCCCAGGCGGGCCTCGCGGGCCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCCTGACACGG : 60

DaIRIPf : CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT : 120

DaIRIPf : GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC : 180

DaIRIPf : AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCCTCACTACGACCGGTCTGTTCACTGGGCATGGTT : 240

DaIRIPf : TTCATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACAACCTCCAAGAACAACCAAAT : 300

DaIRIPf : GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTCTGAGATCTGGGAGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC : 360

DaIRIPf : GACAATACTGTCTATCTGCGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAGCCACAACACTGTCTGTA : 420

DaIRIPf : ACGGGGAGTGACAATGTCTGTAAGTGGTAGTAACCATGTCTGTATCTAGGACCAACCATGTC : 480

DaIRIPf : GTAAGTGAACAACAATGCCGTAACCGGAACCAACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC : 540

DaIRIPf : ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCTGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC : 600

DaIRIPf : AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC : 660

DaIRIPf : GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGCTTACAATCACATGGTAGGGCCAATCGC : 720

DaIRIPf : ATTATGTAACCTTCATGGATATAGCATCCTTTTCTGTTTTAAATAAAAACCCCTAAACTA : 780

DaIRIPf : TCTTACAAAAA : 810

FIGURE 24

50/108

DaIRIPf : LPRRGLAGPITGATLAGLTRLESLNLANNSLVGTIPSWIGELDHLCYMDLSHNSLDGEVP : 60

DaIRIPf : KSLQIRLRALTITGRSLGMVFINMPLMKRSRRTLQEQPNVITGTNNSVRSGRNNVVSGN : 120

DaIRIPf : DNTVISGNNNVVSGSHNTVVVTGSDNVVSGSNHVVSRTNHEVVTDNNAVTVGNHNTVSGSHN : 180

DaIRIPf : TVSGSNNVVSGSNHVVSNGKVVVTGG : 206

FIGURE 25

51/108

	*	20	*	40	*	60	
LpIRIPa.1	:	CCCCGGCTGGTAAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTAAC	:	60			
LpIRIPa.2	:	CCCCGGCTGGTAAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTAAC	:	60			
LpIRIPa.3	:	-----	:	-			
LpIRIPa.4	:	-----	:	-			
LpIRIPa.5	:	-----	:	-			
LpIRIPa.6	:	-----	:	-			
LpIRIPa.7	:	-----	:	-			
LpIRIPa.8	:	-----	:	-			
LpIRIPa.9	:	-----	:	-			
LpIRIPa.10	:	-----	:	-			
LpIRIPa.11	:	-----	:	-			
LpIRIPa.12	:	-----	:	-			
LpIRIPa.13	:	-----	:	-			
LpIRIPa.14	:	-----	:	-			
LpIRIPa.15	:	-----	:	-			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26

52/108

	*	80	*	100	*	120	
LpIRIPa.1	:	ATATTTCAATATAATTATTTGTATTACAGCAGAAAAATCATTATTTCTATTACTTTGTATT	:	120			
LpIRIPa.2	:	ATATTTCAATATAATTATTTGTATTACAGCAGAAAAATCATTATTTCTATTACTTTGTATT	:	120			
LpIRIPa.3	:	-----	:	-			
LpIRIPa.4	:	-----	:	-			
LpIRIPa.5	:	-----	:	-			
LpIRIPa.6	:	-----	:	-			
LpIRIPa.7	:	-----	:	-			
LpIRIPa.8	:	-----	:	-			
LpIRIPa.9	:	-----	:	-			
LpIRIPa.10	:	-----	:	-			
LpIRIPa.11	:	-----	:	-			
LpIRIPa.12	:	-----	:	-			
LpIRIPa.13	:	-----	:	-			
LpIRIPa.14	:	-----	:	-			
LpIRIPa.15	:	-----	:	-			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

53/108

	*	140	*	160	*	180	
LpIRIPa.1	:	ATTATTTTGTTTTGAGTGTGTGTA AAAATTGGGAATTACA ACTATACTATTTTCGTATGGGA					: 180
LpIRIPa.2	:	ATTATTTTGTTTTGAGTGTGTGTA AAAATTGGGAATTACA ACTATACTATTTTCGTATGGGA					: 180
LpIRIPa.3	:	-----					: -
LpIRIPa.4	:	-----					: -
LpIRIPa.5	:	-----					: -
LpIRIPa.6	:	-----					: -
LpIRIPa.7	:	-----					: -
LpIRIPa.8	:	-----					: -
LpIRIPa.9	:	-----					: -
LpIRIPa.10	:	-----					: -
LpIRIPa.11	:	-----					: -
LpIRIPa.12	:	-----					: -
LpIRIPa.13	:	-----					: -
LpIRIPa.14	:	-----					: -
LpIRIPa.15	:	-----					: -
LpIRIPa.16	:	-----					: -
LpIRIPa.17	:	-----					: -
LpIRIPa.18	:	-----					: -
LpIRIPa.19	:	-----					: -
LpIRIPa.20	:	-----					: -
LpIRIPa.21	:	-----					: -
LpIRIPa.22	:	-----					: -
LpIRIPa.23	:	-----					: -
LpIRIPa.24	:	-----					: -
LpIRIPa.25	:	-----					: -
LpIRIPa.26	:	-----					: -
LpIRIPa.27	:	-----					: -
LpIRIPa.28	:	-----					: -
LpIRIPa.29	:	-----					: -
LpIRIPa.30	:	-----					: -
LpIRIPa.31	:	-----					: -
LpIRIPa.32	:	-----					: -
LpIRIPa.33	:	-----					: -
LpIRIPa.34	:	-----					: -
LpIRIPa.35	:	-----					: -
LpIRIPa.36	:	-----					: -
LpIRIPa.37	:	-----					: -
LpIRIPa.38	:	-----					: -
LpIRIPa.39	:	-----					: -
LpIRIPa.40	:	-----					: -
LpIRIPa.41	:	-----					: -
LpIRIPa.42	:	-----					: -
LpIRIPa.43	:	-----					: -
LpIRIPa.44	:	-----					: -
LpIRIPa.45	:	-----					: -
LpIRIPa.46	:	-----					: -

FIGURE 26 (cont.)

54/108

	*	200	*	220	*	240	
LpIRIPa.1	:	ACAATTTGTTAATTTTGGTCTCTCTTCTCTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAA	:	240			240
LpIRIPa.2	:	ACAATTTGTTAATTTTGGTCTCTCTTCTCTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAA	:	240			240
LpIRIPa.3	:	-----	:				-
LpIRIPa.4	:	-----	:				-
LpIRIPa.5	:	-----	:				-
LpIRIPa.6	:	-----	:				-
LpIRIPa.7	:	-----	:				-
LpIRIPa.8	:	-----	:				-
LpIRIPa.9	:	-----	:				-
LpIRIPa.10	:	-----	:				-
LpIRIPa.11	:	-----	:				-
LpIRIPa.12	:	-----	:				-
LpIRIPa.13	:	-----	:				-
LpIRIPa.14	:	-----	:				-
LpIRIPa.15	:	-----	:				-
LpIRIPa.16	:	-----	:				-
LpIRIPa.17	:	-----	:				-
LpIRIPa.18	:	-----	:				-
LpIRIPa.19	:	-----	:				-
LpIRIPa.20	:	-----	:				-
LpIRIPa.21	:	-----	:				-
LpIRIPa.22	:	-----	:				-
LpIRIPa.23	:	-----	:				-
LpIRIPa.24	:	-----	:				-
LpIRIPa.25	:	-----	:				-
LpIRIPa.26	:	-----	:				-
LpIRIPa.27	:	-----	:				-
LpIRIPa.28	:	-----	:				-
LpIRIPa.29	:	-----	:				-
LpIRIPa.30	:	-----	:				-
LpIRIPa.31	:	-----	:				-
LpIRIPa.32	:	-----	:				-
LpIRIPa.33	:	-----	:				-
LpIRIPa.34	:	-----	:				-
LpIRIPa.35	:	-----	:				-
LpIRIPa.36	:	-----	:				-
LpIRIPa.37	:	-----	:				-
LpIRIPa.38	:	-----	:				-
LpIRIPa.39	:	-----	:				-
LpIRIPa.40	:	-----	:				-
LpIRIPa.41	:	-----	:				-
LpIRIPa.42	:	-----	:				-
LpIRIPa.43	:	-----	:				-
LpIRIPa.44	:	-----	:				-
LpIRIPa.45	:	-----	:				-
LpIRIPa.46	:	-----	:				-

FIGURE 26 (cont.)

55/108

	*	260	*	280	*	300	
LpIRIPa.1	:	AACCAAGATCTAATTGTGGAAGTAGACTAGTAGTCGACCACCCATGCATGCTTACATAAG					: 300
LpIRIPa.2	:	AACCAAGATCTAATTGTGGAAGTAGACTAGTAGTCGACCACCCATGCATGCTTACATAAG					: 300
LpIRIPa.3	:	-----					: -
LpIRIPa.4	:	-----					: -
LpIRIPa.5	:	-----					: -
LpIRIPa.6	:	-----					: -
LpIRIPa.7	:	-----					: -
LpIRIPa.8	:	-----					: -
LpIRIPa.9	:	-----					: -
LpIRIPa.10	:	-----					: -
LpIRIPa.11	:	-----					: -
LpIRIPa.12	:	-----					: -
LpIRIPa.13	:	-----					: -
LpIRIPa.14	:	-----					: -
LpIRIPa.15	:	-----					: -
LpIRIPa.16	:	-----					: -
LpIRIPa.17	:	-----					: -
LpIRIPa.18	:	-----					: -
LpIRIPa.19	:	-----					: -
LpIRIPa.20	:	-----					: -
LpIRIPa.21	:	-----					: -
LpIRIPa.22	:	-----					: -
LpIRIPa.23	:	-----					: -
LpIRIPa.24	:	-----					: -
LpIRIPa.25	:	-----					: -
LpIRIPa.26	:	-----					: -
LpIRIPa.27	:	-----					: -
LpIRIPa.28	:	-----					: -
LpIRIPa.29	:	-----					: -
LpIRIPa.30	:	-----					: -
LpIRIPa.31	:	-----					: -
LpIRIPa.32	:	-----					: -
LpIRIPa.33	:	-----					: -
LpIRIPa.34	:	-----					: -
LpIRIPa.35	:	-----					: -
LpIRIPa.36	:	-----					: -
LpIRIPa.37	:	-----					: -
LpIRIPa.38	:	-----					: -
LpIRIPa.39	:	-----					: -
LpIRIPa.40	:	-----					: -
LpIRIPa.41	:	-----					: -
LpIRIPa.42	:	-----					: -
LpIRIPa.43	:	-----					: -
LpIRIPa.44	:	-----					: -
LpIRIPa.45	:	-----					: -
LpIRIPa.46	:	-----					: -

FIGURE 26 (cont.)

56/108

	*	320	*	340	*	360	
LpIRIPa.1 :	AAAACACACG	CACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAAGGATGCACCAC	:	360			
LpIRIPa.2 :	AAAACACACG	CACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAAGGATGCACCAC	:	360			
LpIRIPa.3 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.4 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.5 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.6 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.7 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.8 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.9 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.10 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.11 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.12 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.13 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.14 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.15 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.16 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.17 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.18 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.19 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.20 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.21 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.22 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.23 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.24 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.25 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.26 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.27 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.28 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.29 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.30 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.31 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.32 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.33 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.34 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.35 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.36 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.37 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.38 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.39 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.40 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.41 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.42 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.43 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.44 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.45 :	-----	-----	:	-			
LpIRIPa.46 :	-----	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

57/108

		*	380	*	400	*	420	
LpIRIPa.1	:	CTAAGCAATTTTGGCCAACAGCGCGCACTTGTTGCATTCAAAAAGAAAATCTTACATAG					:	420
LpIRIPa.2	:	CTAAGCAATTTTGGCCAACAGCGCGCACTTGTTGCATTCAAAAAGAAAATCTTACATAG					:	420
LpIRIPa.3	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.4	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.5	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.6	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.7	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.8	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.9	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.10	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.11	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.12	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.13	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.14	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.15	:	-----CTTACATAG					:	9
LpIRIPa.16	:	-----					:	-
LpIRIPa.17	:	-----					:	-
LpIRIPa.18	:	-----					:	-
LpIRIPa.19	:	-----					:	-
LpIRIPa.20	:	-----					:	-
LpIRIPa.21	:	-----					:	-
LpIRIPa.22	:	-----					:	-
LpIRIPa.23	:	-----					:	-
LpIRIPa.24	:	-----					:	-
LpIRIPa.25	:	-----					:	-
LpIRIPa.26	:	-----					:	-
LpIRIPa.27	:	-----					:	-
LpIRIPa.28	:	-----					:	-
LpIRIPa.29	:	-----					:	-
LpIRIPa.30	:	-----					:	-
LpIRIPa.31	:	-----					:	-
LpIRIPa.32	:	-----					:	-
LpIRIPa.33	:	-----					:	-
LpIRIPa.34	:	-----					:	-
LpIRIPa.35	:	-----					:	-
LpIRIPa.36	:	-----					:	-
LpIRIPa.37	:	-----					:	-
LpIRIPa.38	:	-----					:	-
LpIRIPa.39	:	-----					:	-
LpIRIPa.40	:	-----					:	-
LpIRIPa.41	:	-----					:	-
LpIRIPa.42	:	-----					:	-
LpIRIPa.43	:	-----					:	-
LpIRIPa.44	:	-----					:	-
LpIRIPa.45	:	-----					:	-
LpIRIPa.46	:	-----					:	-

FIGURE 26 (cont.)

58/108

	*	440	*	460	*	480	
LpIRIPa.1 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	480				
LpIRIPa.2 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	480				
LpIRIPa.3 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.4 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.5 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.6 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.7 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.8 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.9 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.10 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.11 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.12 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.13 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.14 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.15 :	CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCCTCCTGCCGGCGG	:	69				
LpIRIPa.16 :	-----	:	-				
LpIRIPa.17 :	-----	:	-				
LpIRIPa.18 :	-----	:	-				
LpIRIPa.19 :	-----	:	-				
LpIRIPa.20 :	-----	:	-				
LpIRIPa.21 :	-----	:	-				
LpIRIPa.22 :	-----	:	-				
LpIRIPa.23 :	-----	:	-				
LpIRIPa.24 :	-----	:	-				
LpIRIPa.25 :	-----	:	-				
LpIRIPa.26 :	-----	:	-				
LpIRIPa.27 :	-----	:	-				
LpIRIPa.28 :	-----	:	-				
LpIRIPa.29 :	-----	:	-				
LpIRIPa.30 :	-----	:	-				
LpIRIPa.31 :	-----	:	-				
LpIRIPa.32 :	-----	:	-				
LpIRIPa.33 :	-----	:	-				
LpIRIPa.34 :	-----	:	-				
LpIRIPa.35 :	-----	:	-				
LpIRIPa.36 :	-----	:	-				
LpIRIPa.37 :	-----	:	-				
LpIRIPa.38 :	-----	:	-				
LpIRIPa.39 :	-----	:	-				
LpIRIPa.40 :	-----	:	-				
LpIRIPa.41 :	-----	:	-				
LpIRIPa.42 :	-----	:	-				
LpIRIPa.43 :	-----	:	-				
LpIRIPa.44 :	-----	:	-				
LpIRIPa.45 :	-----	:	-				
LpIRIPa.46 :	-----	:	-				

FIGURE 26 (cont.)

59/108

	*	500	*	520	*	540	
LpIRIPa.1	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	540			
LpIRIPa.2	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	540			
LpIRIPa.3	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.4	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.5	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.6	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.7	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.8	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.9	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.10	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.11	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.12	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.13	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.14	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.15	:	CGAGCGTGGCGGTGTCATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTGCGCCGGTA	:	129			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

60/108

	*	560	*	580	*	600	
LpIRIPa.1	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	600			
LpIRIPa.2	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	600			
LpIRIPa.3	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.4	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.5	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.6	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.7	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.8	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.9	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.10	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.11	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.12	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.13	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.14	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.15	:	ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCCGACAACCTTGCTGTAGTT	:	189			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

61/108

	*	620	*	640	*	660	
LpIRIPa.1	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	660			
LpIRIPa.2	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGTTCGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	660			
LpIRIPa.3	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.4	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.5	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.6	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.7	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.8	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.9	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.10	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.11	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.12	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.13	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.14	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.15	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC	:	249			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

62/108

	*	680	*	700	*	720	
LpIRIPa.1	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	720			
LpIRIPa.2	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	720			
LpIRIPa.3	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.4	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.5	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.6	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.7	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.8	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.9	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.10	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.11	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.12	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.13	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.14	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.15	:	ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC	:	309			
LpIRIPa.16	:	-----	:	-			
LpIRIPa.17	:	-----	:	-			
LpIRIPa.18	:	-----	:	-			
LpIRIPa.19	:	-----	:	-			
LpIRIPa.20	:	-----	:	-			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-			
LpIRIPa.22	:	-----	:	-			
LpIRIPa.23	:	-----	:	-			
LpIRIPa.24	:	-----	:	-			
LpIRIPa.25	:	-----	:	-			
LpIRIPa.26	:	-----	:	-			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-			
LpIRIPa.28	:	-----	:	-			
LpIRIPa.29	:	-----	:	-			
LpIRIPa.30	:	-----	:	-			
LpIRIPa.31	:	-----	:	-			
LpIRIPa.32	:	-----	:	-			
LpIRIPa.33	:	-----	:	-			
LpIRIPa.34	:	-----	:	-			
LpIRIPa.35	:	-----	:	-			
LpIRIPa.36	:	-----	:	-			
LpIRIPa.37	:	-----	:	-			
LpIRIPa.38	:	-----	:	-			
LpIRIPa.39	:	-----	:	-			
LpIRIPa.40	:	-----	:	-			
LpIRIPa.41	:	-----	:	-			
LpIRIPa.42	:	-----	:	-			
LpIRIPa.43	:	-----	:	-			
LpIRIPa.44	:	-----	:	-			
LpIRIPa.45	:	-----	:	-			
LpIRIPa.46	:	-----	:	-			

FIGURE 26 (cont.)

63/108

	*	740	*	760	*	780	
LpIRIPa.1 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	780				
LpIRIPa.2 :	TCAACCTCGCCGACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	780				
LpIRIPa.3 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.4 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.5 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.6 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.7 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.8 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.9 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.10 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.11 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.12 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.13 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.14 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.15 :	TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC	:	369				
LpIRIPa.16 :	-----	:	-				
LpIRIPa.17 :	-----	:	-				
LpIRIPa.18 :	-----	:	-				
LpIRIPa.19 :	-----	:	-				
LpIRIPa.20 :	-----	:	-				
LpIRIPa.21 :	-----	:	-				
LpIRIPa.22 :	-----	:	-				
LpIRIPa.23 :	-----	:	-				
LpIRIPa.24 :	-----	:	-				
LpIRIPa.25 :	-----	:	-				
LpIRIPa.26 :	-----	:	-				
LpIRIPa.27 :	-----	:	-				
LpIRIPa.28 :	-----	:	-				
LpIRIPa.29 :	-----	:	-				
LpIRIPa.30 :	-----	:	-				
LpIRIPa.31 :	-----	:	-				
LpIRIPa.32 :	-----	:	-				
LpIRIPa.33 :	-----	:	-				
LpIRIPa.34 :	-----	:	-				
LpIRIPa.35 :	-----	:	-				
LpIRIPa.36 :	-----	:	-				
LpIRIPa.37 :	-----	:	-				
LpIRIPa.38 :	-----	:	-				
LpIRIPa.39 :	-----	:	-				
LpIRIPa.40 :	-----	:	-				
LpIRIPa.41 :	-----	:	-				
LpIRIPa.42 :	-----	:	-				
LpIRIPa.43 :	-----	:	-				
LpIRIPa.44 :	-----	:	-				
LpIRIPa.45 :	-----	:	-				
LpIRIPa.46 :	-----	:	-				

FIGURE 26 (cont.)

64/108

	*	800	*	820	*	840
LpIRIPa.1	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	840		
LpIRIPa.2	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	840		
LpIRIPa.3	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.4	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.5	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.6	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.7	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.8	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.9	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.10	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.11	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.12	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.13	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.14	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.15	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC	:	429		
LpIRIPa.16	:	-----	:	-		
LpIRIPa.17	:	-----	:	-		
LpIRIPa.18	:	-----	:	-		
LpIRIPa.19	:	-----	:	-		
LpIRIPa.20	:	-----	:	-		
LpIRIPa.21	:	-----	:	-		
LpIRIPa.22	:	-----	:	-		
LpIRIPa.23	:	-----	:	-		
LpIRIPa.24	:	-----	:	-		
LpIRIPa.25	:	-----	:	-		
LpIRIPa.26	:	-----	:	-		
LpIRIPa.27	:	-----	:	-		
LpIRIPa.28	:	-----	:	-		
LpIRIPa.29	:	-----	:	-		
LpIRIPa.30	:	-----	:	-		
LpIRIPa.31	:	-----	:	-		
LpIRIPa.32	:	-----	:	-		
LpIRIPa.33	:	-----	:	-		
LpIRIPa.34	:	-----	:	-		
LpIRIPa.35	:	-----	:	-		
LpIRIPa.36	:	-----	:	-		
LpIRIPa.37	:	-----	:	-		
LpIRIPa.38	:	-----	:	-		
LpIRIPa.39	:	-----	:	-		
LpIRIPa.40	:	-----	:	-		
LpIRIPa.41	:	-----	:	-		
LpIRIPa.42	:	-----	:	-		
LpIRIPa.43	:	-----	:	-		
LpIRIPa.44	:	-----	:	-		
LpIRIPa.45	:	-----	:	-		
LpIRIPa.46	:	-----	:	-		

FIGURE 26 (cont.)

65/108

[illegible]

FIGURE 26 (cont.)

[illegible]

FIGURE 26 (cont.)

67/108

		980	1000	1020	
LpIRIPa.1	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	1020	
LpIRIPa.2	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	1020	
LpIRIPa.3	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.4	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.5	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.6	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.7	:	GGACC-----	:	554	
LpIRIPa.8	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.9	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	569	
LpIRIPa.10	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	567	
LpIRIPa.11	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	566	
LpIRIPa.12	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.13	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.14	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	568	
LpIRIPa.15	:	GGACCAATAACTATGTCAG-----	:	566	
LpIRIPa.16	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.17	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.18	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.19	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.20	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.21	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.22	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.23	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.24	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.25	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.26	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.27	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.28	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.29	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.30	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.31	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.32	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.33	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.34	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.35	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.36	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.37	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.38	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.39	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168	
LpIRIPa.40	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	166	
LpIRIPa.41	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	165	
LpIRIPa.42	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	161	
LpIRIPa.43	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	161	
LpIRIPa.44	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	161	
LpIRIPa.45	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	155	
LpIRIPa.46	:	-----AATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	28	

FIGURE 26 (cont.)

68/108

	*	1040	*	1060	*	1080	
LpIRIPa.1	:	TCACATCCGGGAACAAC	ATGTTGTGTCTGGAAACCACAAC	AC	GTGTCTGGGACCAACC	:	1080
LpIRIPa.2	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAAC	AC	GTGTCTGGGACCAACC	:	1080	
LpIRIPa.3	:	-----				:	-
LpIRIPa.4	:	-----				:	-
LpIRIPa.5	:	-----				:	-
LpIRIPa.6	:	-----				:	-
LpIRIPa.7	:	-----				:	-
LpIRIPa.8	:	-----				:	-
LpIRIPa.9	:	-----				:	-
LpIRIPa.10	:	-----				:	-
LpIRIPa.11	:	-----				:	-
LpIRIPa.12	:	-----				:	-
LpIRIPa.13	:	-----				:	-
LpIRIPa.14	:	-----				:	-
LpIRIPa.15	:	-----				:	-
LpIRIPa.16	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.17	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.18	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.19	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.20	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.21	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.22	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.23	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.24	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.25	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.26	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.27	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.28	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.29	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.30	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.31	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.32	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.33	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.34	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.35	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.36	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.37	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.38	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.39	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.40	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228			
LpIRIPa.41	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	226			
LpIRIPa.42	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	225			
LpIRIPa.43	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	221			
LpIRIPa.44	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	221			
LpIRIPa.45	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	215			
LpIRIPa.46	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	88			

FIGURE 26 (cont.)

69/108

	*	1100	*	1120	*	1140	
LpIRIPa.1	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 1140
LpIRIPa.2	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 1140
LpIRIPa.3	:	-----					:
LpIRIPa.4	:	-----					:
LpIRIPa.5	:	-----					:
LpIRIPa.6	:	-----					:
LpIRIPa.7	:	-----					:
LpIRIPa.8	:	-----					:
LpIRIPa.9	:	-----					:
LpIRIPa.10	:	-----					:
LpIRIPa.11	:	-----					:
LpIRIPa.12	:	-----					:
LpIRIPa.13	:	-----					:
LpIRIPa.14	:	-----					:
LpIRIPa.15	:	-----					:
LpIRIPa.16	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.17	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.18	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.19	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.20	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.21	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.22	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.23	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.24	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.25	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.26	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.27	:	-----					:
LpIRIPa.28	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.29	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.30	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.31	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.32	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.33	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.34	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.35	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.36	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.37	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.38	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.39	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 288
LpIRIPa.40	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 286
LpIRIPa.41	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 285
LpIRIPa.42	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 281
LpIRIPa.43	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 281
LpIRIPa.44	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 281
LpIRIPa.45	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 275
LpIRIPa.46	:	ATGTTGTAAC TGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGAGCC					: 148

FIGURE 26 (cont.)

70/108

	*	1160	*	1180	*	1200	
LpIRIPa.1	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 1200
LpIRIPa.2	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 1200
LpIRIPa.3	:	-----					:
LpIRIPa.4	:	-----					:
LpIRIPa.5	:	-----					:
LpIRIPa.6	:	-----					:
LpIRIPa.7	:	-----					:
LpIRIPa.8	:	-----					:
LpIRIPa.9	:	-----					:
LpIRIPa.10	:	-----					:
LpIRIPa.11	:	-----					:
LpIRIPa.12	:	-----					:
LpIRIPa.13	:	-----					:
LpIRIPa.14	:	-----					:
LpIRIPa.15	:	-----					:
LpIRIPa.16	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.17	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.18	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.19	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.20	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.21	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCT-----					: 323
LpIRIPa.22	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.23	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.24	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.25	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.26	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.27	:	-----					:
LpIRIPa.28	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.29	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.30	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.31	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.32	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.33	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.34	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.35	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.36	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.37	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.38	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.39	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 348
LpIRIPa.40	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 346
LpIRIPa.41	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 345
LpIRIPa.42	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 341
LpIRIPa.43	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 341
LpIRIPa.44	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 341
LpIRIPa.45	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 335
LpIRIPa.46	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA					: 208

FIGURE 26 (cont.)

71/108

	*	1220	*	1240	*	1260	
LpIRIPa.1 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCTGCATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 1260
LpIRIPa.2 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 1260
LpIRIPa.3 :	-----						: -
LpIRIPa.4 :	-----						: -
LpIRIPa.5 :	-----						: -
LpIRIPa.6 :	-----						: -
LpIRIPa.7 :	-----						: -
LpIRIPa.8 :	-----						: -
LpIRIPa.9 :	-----						: -
LpIRIPa.10 :	-----						: -
LpIRIPa.11 :	-----						: -
LpIRIPa.12 :	-----						: -
LpIRIPa.13 :	-----						: -
LpIRIPa.14 :	-----						: -
LpIRIPa.15 :	-----						: -
LpIRIPa.16 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.17 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.18 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.19 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.20 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.21 :	-----						: -
LpIRIPa.22 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.23 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.24 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.25 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.26 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.27 :	-----						: -
LpIRIPa.28 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.29 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.30 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.31 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.32 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.33 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.34 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.35 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.36 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.37 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.38 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.39 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 408
LpIRIPa.40 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 406
LpIRIPa.41 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 405
LpIRIPa.42 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 401
LpIRIPa.43 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 401
LpIRIPa.44 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 401
LpIRIPa.45 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 395
LpIRIPa.46 :	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG						: 268

FIGURE 26 (cont.)

72/108

	*	1280	*	1300	*	1320	
LpIRIPa.1 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCC-----						: 1298
LpIRIPa.2 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCC-----						: 1298
LpIRIPa.3 :	-----						: -
LpIRIPa.4 :	-----						: -
LpIRIPa.5 :	-----						: -
LpIRIPa.6 :	-----						: -
LpIRIPa.7 :	-----						: -
LpIRIPa.8 :	-----						: -
LpIRIPa.9 :	-----						: -
LpIRIPa.10 :	-----						: -
LpIRIPa.11 :	-----						: -
LpIRIPa.12 :	-----						: -
LpIRIPa.13 :	-----						: -
LpIRIPa.14 :	-----						: -
LpIRIPa.15 :	-----						: -
LpIRIPa.16 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.17 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.18 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.19 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.20 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.21 :	-----						: -
LpIRIPa.22 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.23 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.24 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.25 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.26 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.27 :	-----						: -
LpIRIPa.28 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.29 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.30 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.31 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.32 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.33 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.34 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.35 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.36 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.37 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.38 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.39 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 468
LpIRIPa.40 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 466
LpIRIPa.41 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 465
LpIRIPa.42 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 461
LpIRIPa.43 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 461
LpIRIPa.44 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 461
LpIRIPa.45 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 455
LpIRIPa.46 :	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC						: 328

FIGURE 26 (cont.)

73/108

	*	1340	*	1360	*	1380	
LpIRIPa.1	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.2	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.3	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.4	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.5	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.6	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.7	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.8	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.9	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.10	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.11	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.12	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.13	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.14	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.15	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.16	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.17	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.18	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.19	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.20	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.21	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.22	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.23	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.24	:	CAAGCTGGGTGTAG-----	:	482			
LpIRIPa.25	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.26	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.27	:	-----	:	-----	:	-----	-
LpIRIPa.28	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.29	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.30	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.31	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.32	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCG-----	:	524			
LpIRIPa.33	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.34	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.35	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.36	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.37	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.38	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.39	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	528			
LpIRIPa.40	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	526			
LpIRIPa.41	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	525			
LpIRIPa.42	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	521			
LpIRIPa.43	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	521			
LpIRIPa.44	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	521			
LpIRIPa.45	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	515			
LpIRIPa.46	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA	:	388			

FIGURE 26 (cont.)

74/108

*

LpIRIPa.1	: -----	:	-
LpIRIPa.2	: -----	:	-
LpIRIPa.3	: -----	:	-
LpIRIPa.4	: -----	:	-
LpIRIPa.5	: -----	:	-
LpIRIPa.6	: -----	:	-
LpIRIPa.7	: -----	:	-
LpIRIPa.8	: -----	:	-
LpIRIPa.9	: -----	:	-
LpIRIPa.10	: -----	:	-
LpIRIPa.11	: -----	:	-
LpIRIPa.12	: -----	:	-
LpIRIPa.13	: -----	:	-
LpIRIPa.14	: -----	:	-
LpIRIPa.15	: -----	:	-
LpIRIPa.16	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.17	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.18	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.19	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.20	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.21	: -----	:	-
LpIRIPa.22	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.23	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.24	: -----	:	-
LpIRIPa.25	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.26	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.27	: -----	:	-
LpIRIPa.28	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.29	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.30	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.31	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.32	: -----	:	-
LpIRIPa.33	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.34	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.35	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.36	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.37	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.38	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.39	: TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.40	: TATAGCATCAC	:	537
LpIRIPa.41	: TATAGCATCAC	:	536
LpIRIPa.42	: TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.43	: TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.44	: TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.45	: TATAGCATCAC	:	526
LpIRIPa.46	: TATAGCATCAC	:	399

FIGURE 26 (cont.)

75/108

LpIRIPa : CCCGGGCTGGTAAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTA ACT : 60
 LpIRIPa : ATATTTC AATATAATTATTGTATTACAGCAGAAAATCATTATTTCTATTACTTTGTATT : 120
 LpIRIPa : ATTATTTTGT TTTTGAGTGTGTAA AATTGGGAATTACAAC TATACTATTTTCGTATGGGA : 180
 LpIRIPa : ACAATTTGT TAAATTTTGTGTCTCTCTTTCTCTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAA : 240
 LpIRIPa : AACCAAGATCTAATTGTGGAAGTAGACTAGTAGTCGACCACCCATGCATGCTTACATAAG : 300
 LpIRIPa : AAAACACACGCACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAGGATGCACCAC : 360
 LpIRIPa : CTAAGCAATTTT TGCCAACAGCGCGCACTTGT TTTGCATTCAAAAAGAAAATCTTACATAG : 420
 LpIRIPa : CTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGCGTTCCTCCTGCCGGCGG : 480
 LpIRIPa : CGAGCGTGGCGGTGT CATGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGTTCGCCGGTA : 540
 LpIRIPa : ATCTCAGCAATGGGGGCGTGCTCCTCCATGCCAAGTGGCCCGACA ACTCTTGCTGTAGTT : 600
 LpIRIPa : GGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACGTTGTGGCTCCCTGGGC : 660
 LpIRIPa : ATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGCTGGAGTCGC : 720
 LpIRIPa : TCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCTTGGATTGGTGTGCTTGACC : 780
 LpIRIPa : ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCA TTGGTTGGTGAGATACCAAAGAATTTAC : 840
 LpIRIPa : AAATAAGGCTCAGGTGCCTCAACATCGTTGTCGTTCACTGGGCATGGCTTCCACTAACA : 900

FIGURE 27

76/108

LpIRIPa : TGACATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTAAGTGGGCAACCAAACACAATAACCG : 960

LpIRIPa : GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG : 1020

LpIRIPa : TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC : 1080

LpIRIPa : ATGTTGTAACCTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC : 1140

LpIRIPa : ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA : 1200

LpIRIPa : GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG : 1260

LpIRIPa : GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC : 1320

LpIRIPa : CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACCTTCGTGGA : 1380

LpIRIPa : TATAGCATCAC : 1391

FIGURE 27 (cont.)

77/108

LpIRIPa : MEKSWFLLFLAFLLPAAASVAVSCHPDDLLALRGFAGNLSNGGVLLHAKWPDNSCCSWEG : 60

LpIRIPa : VGCDGGSGRVTTLWLPGLAGHIPTASLAGLARLESNLANNKLVGTIPSWIGVLDHLC : 120

LpIRIPa : YLDLSNNSLVGEIPKNLQIRLRCLNIVGRSLGMASTNMTLQVKHNOIALSGQPNTITGTN : 180

LpIRIPa : NYVRSGVNNVVSGNHNTVTSNNNVVSGNHNTVSGTNHVVTGNNHVVTNRNQNTVSGSHHK : 240

LpIRIPa : VSGGHNTVSGSHNTVSGSHNTVSGSNHIVHGNNKVVTGG : 279

FIGURE 28

78/108

```

      *           20           *           40           *           60
LpIRIPb.1 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.2 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.3 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.4 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.5 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.6 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.7 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.8 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.9 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.10 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.11 : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 60
LpIRIPb.12 : -----AATGGAGGAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 44
LpIRIPb.13 : -----TTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCCTCC : 28
LpIRIPb.14 : -----CC : 2
LpIRIPb.15 : ----- : -
LpIRIPb.16 : ----- : -

      *           80           *           100           *           120
LpIRIPb.1 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.2 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.3 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.4 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.5 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.6 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.7 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.8 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.9 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.10 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.11 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120
LpIRIPb.12 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 104
LpIRIPb.13 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 88
LpIRIPb.14 : TGCCGCGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 62
LpIRIPb.15 : -----GTGGCGGTGTCTGTCACCCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 46
LpIRIPb.16 : ----- : -

      *           140           *           160           *           180
LpIRIPb.1 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.2 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.3 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.4 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.5 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.6 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.7 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.8 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.9 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.10 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.11 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 180
LpIRIPb.12 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 164
LpIRIPb.13 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 148
LpIRIPb.14 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 122
LpIRIPb.15 : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGTTTCGGCAACTCTT : 106
LpIRIPb.16 : ----- : -

```

FIGURE 29

79/108

		*	200	*	220	*	240	
LpIRIPb.1	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.2	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.3	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.4	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.5	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.6	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.7	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.8	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.9	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.10	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.11	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.12	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	240				
LpIRIPb.13	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	208				
LpIRIPb.14	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	182				
LpIRIPb.15	:	GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC	:	166				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				
		*	260	*	280	*	300	
LpIRIPb.1	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.2	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.3	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.4	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.5	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.6	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.7	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.8	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.9	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.10	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.11	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	300				
LpIRIPb.12	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	284				
LpIRIPb.13	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	268				
LpIRIPb.14	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	242				
LpIRIPb.15	:	TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGCACGGC	:	226				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				
		*	320	*	340	*	360	
LpIRIPb.1	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.2	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.3	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.4	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.5	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.6	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.7	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.8	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.9	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.10	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.11	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	360				
LpIRIPb.12	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	344				
LpIRIPb.13	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	328				
LpIRIPb.14	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	302				
LpIRIPb.15	:	TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG	:	286				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				

FIGURE 29 (cont.)

80/108

		*	380	*	400	*	420	
LpIRIPb.1	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.2	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.3	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.4	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.5	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.6	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.7	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.8	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.9	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.10	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.11	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	420				
LpIRIPb.12	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	404				
LpIRIPb.13	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	388				
LpIRIPb.14	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	362				
LpIRIPb.15	:	TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA	:	346				
LpIRIPb.16	:	-----	:	-				
		*	440	*	460	*	480	
LpIRIPb.1	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.2	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.3	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.4	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.5	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.6	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.7	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.8	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.9	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.10	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.11	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	480				
LpIRIPb.12	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	464				
LpIRIPb.13	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	448				
LpIRIPb.14	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	422				
LpIRIPb.15	:	AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTATTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	406				
LpIRIPb.16	:	-----GGTGGCCTCAACATCGTTGGTCATTCACTGGGTACGGCTT	:	39				
		*	500	*	520	*	540	
LpIRIPb.1	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.2	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.3	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.4	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.5	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.6	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.7	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.8	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.9	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.10	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.11	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	540				
LpIRIPb.12	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	524				
LpIRIPb.13	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	508				
LpIRIPb.14	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	482				
LpIRIPb.15	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	466				
LpIRIPb.16	:	CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA	:	99				

FIGURE 29 (cont.)

81/108

	*	560	*	580	*	600	
LpIRIPb.1	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.2	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.3	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.4	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.5	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.6	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.7	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.8	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.9	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAGAT	-----	-----	-----	-----	: 570
LpIRIPb.10	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 568
LpIRIPb.11	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 569
LpIRIPb.12	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 552
LpIRIPb.13	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 536
LpIRIPb.14	:	CAATAA	-----	-----	-----	-----	: 488
LpIRIPb.15	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAG	-----	-----	-----	-----	: 494
LpIRIPb.16	:	CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAGATCTGCGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACC	-----	-----	-----	-----	: 159

	*	620	*	640	*	660	
LpIRIPb.1	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.2	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.3	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.4	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.5	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.6	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.7	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.8	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.9	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.10	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.11	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.12	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.13	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.14	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.15	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.16	:	ACAACACTGTCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAACCACAACACCGTGTCTG	-----	-----	-----	-----	: 219

	*	680	*	700	*	720	
LpIRIPb.1	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.2	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.3	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.4	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.5	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.6	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.7	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.8	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.9	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.10	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.11	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.12	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.13	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.14	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.15	:	-----	-----	-----	-----	-----	: -
LpIRIPb.16	:	GGACCAACCATGTTGTAACTGCTAACAACCATCTCGTAACAAGGAACCAGAATACCGTAT	-----	-----	-----	-----	: 279

FIGURE 29 (cont.)

82/108

	*	740	*	760	*	780	
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	CTGGGAGCCATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGGCCACAATACCG	:		:		: 339

	*	800	*	820	*	840	
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	TATCTGGAAGCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACGTCGTACACGGGAACAACAAG	:		:		: 399

	*	860	*	880	*	900	
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	TCCGTGACAGGAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATCCCTAACGGAGTTCAC	:		:		: 459

FIGURE 29 (cont.)

83/108

	*	920	*	940	*	960	
LpIRIPb.1	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:	-----	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	GTCC	TTGTCCAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAA	:	-----	-----	: 519

	*	980	
LpIRIPb.1	:	-----	:
LpIRIPb.2	:	-----	:
LpIRIPb.3	:	-----	:
LpIRIPb.4	:	-----	:
LpIRIPb.5	:	-----	:
LpIRIPb.6	:	-----	:
LpIRIPb.7	:	-----	:
LpIRIPb.8	:	-----	:
LpIRIPb.9	:	-----	:
LpIRIPb.10	:	-----	:
LpIRIPb.11	:	-----	:
LpIRIPb.12	:	-----	:
LpIRIPb.13	:	-----	:
LpIRIPb.14	:	-----	:
LpIRIPb.15	:	-----	:
LpIRIPb.16	:	CTTCGTGGATATAGCATCAC	: 539

FIGURE 29 (cont.)

84/108

LpIRIPb : CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCTCTCC : 60

LpIRIPb : TGCCGCGCGCGAGCGTGGCGGTGTCTGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT : 120

LpIRIPb : TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCTCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT : 180

LpIRIPb : GCTGTAGTTGGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGCGGCCGTGTCACTACTTTATGGC : 240

LpIRIPb : TCCGTGGGCATGGACTCGCAGGCCACATCCCAACAGCATCCTTGGCTGGCCTTGACGGC : 300

LpIRIPb : TGGAGTCGCTCAACCTCGCCAACAACAACTGGTCGGCACAATCCCATCATGGATGGGTG : 360

LpIRIPb : TGCTTGACCACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGGTGAGATACCCA : 420

LpIRIPb : AGAATTTACAGAGAAGGCTCAGTTGCCCAACATTGTTGGTCAITCACTGGGTACGGCTT : 480

LpIRIPb : CCACTAACATGCCATTGCAGGTGAAGCATAACCAATAGCACTGAGTGGGCAACCAAACA : 540

LpIRIPb : CAATAACCGGGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACC : 600

LpIRIPb : ACAACACTGTCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGGAACCACAACACCGTGTCTG : 660

LpIRIPb : GGACCAACCATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACCGTAT : 720

LpIRIPb : CTGGGAGCCATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCG : 780

LpIRIPb : TATCTGGAAGCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACGTCGTACACGGGAACAACAAAG : 840

FIGURE 30

85/108

 * 860 * 880 * 900
LpIRIPb : TCGTGACAGGAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCTAACGGAGTTCAC : 900

 * 920 * 940 * 960
LpIRIPb : GTCCTTGTCGAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAA : 960

 * 980
LpIRIPb : CTTCGTGGATATAGCATCAC : 980

FIGURE 30 (cont.)

86/108

LpIRIPb : MEKSWFLLLLFLTFLPAASVAVSCHPDDLALRGFAGNLSNGGVLLHAKWFGNSCCSWEG : 60

LpIRIPb : VGCDGGSGRVTTLWLRGHLAGHIPTASLAGLARLESINLANNKLVGTIPSWMGVLDHLC : 120

LpIRIPb : YLDLSNNSLVGEIPKNLQRRLSCPNIVGHS LGTASTNMPLQVKHNQIALSGQPNTITGTN : 180

LpIRIPb : NYVRSGVNNVSGNHNTVTS GNNNVVSGNHNTVSGTNEHVVTGNNHVVTRNQNTVSGSHHK : 240

LpIRIPb : VSGGHNTVSGSHNTVSGSHNTVSGSNHVVHGNKVVTTGG : 279

FIGURE 31

87/108

AATCGTCCTTGCATTAGGCCGGTCACGATGTGTGGTCTAGCCATTCCATG
TCATCCACATCATATAGGTTGGTGACGTTTATTTTGAAGTCTGCGTAATA
AAATCTTCCTAGGATATTTGCATGGTATCACTCAATTATTACTCTGAGTA
GGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCACAGCTCCAATCCTACATGTGGT
AGCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCAGTCGAC
AGAAAACACCAAAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTG
TGGTCACGGACTAGTATTAGACCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATAC
ACGCACACTATAAGTAAGATGTACCACCCAAGCAGTTTTTAACAACAACG
CTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAATCCATATATA
GCATACCACGGCTGAATCCATG

FIGURE 32

88/108

CCTTGTTGCGACTCCGTCTCAAGGGCCTTGAACCTCCTCGCAGACTCCTCT
TCGAGGGCCTGGAGTTTTTGTCTCTGAGTCCTTGGAGCGGCGCAAAGCGTC
ATCTCTTTTCGGCTACAAAATAAAGAATGTTACAAGTGCTTGCAAGGGAAA
TTCATGGAAGGATCTTAAAGATAGTGCTATAACCCGGAAGTCGAGCTCGCT
CTACTAGCAGGGAGCCATGATCAGCTTCAACCTTCGCGAATCTACGCGCC
ATGTCCATTAGCTGGCAAGAAAGAGGCTGCACAGAAATAATTATTCTTAG
TATCCCGCGTTGCCAGAATAGGCTCGGGGGCTACATTAGGATAAAAAAGA
TAAGGGTGCGGAACCTTACGTTTTCTATGCGAGGAGGAGGTGAAGGTCTGG
GAGTCGAAGTTTTCTCCTCCCGCATGATTGTCTTCTCAGGTGAAGACTTC
AAAGCTTCATCATGGTCCACCAACCTCCGCGCTTCATCAGCGGAAGTGGC
TGTCGACTCCATATCCCTTCTCGGGGGTTTAGCTAAGTCATCTTCCCCTT
CGGATCTGTTGTTTATATTTGTATGTGTGGTTTTATTTTTCAAAGCTGAT
ACGATGGTTGCTAAATATAACAGGCTACAAATAGGATATACTTTCCTCTA
CTCTCCCGTCTATTAATCTTCATATGTATGTGTGCATGTATGATGTATCA
AAGTAGAGCATGCATAGGGCTTGTGCACCCCTTGGTAGCCTCGATGACCT
TGACCTTGTGTTGTTTGGTAGCATCGAATCGATTGCGAGAAAATAGTAAG
TTTCTCAATCTGATCAGCCAGACACCGAACATATTATTTGGTAAATAATG
ACGGCGATTACAAATTTTTCAATAATCGTGTAGAATTAGTTGGCTTAACA
AAAGTCGGCACATTAGGCCGGTCACGATGTGTCTCATCCGAGAAATT
CCATGTCAACCACATCGTCTAGGTTCGTATCGTTTATTTTGACGTCTGCA
TAATAAGATCTTCCTAGGATATTTTGTTCCTCTGCGTGCACTGGAAGTGT
AGGCGCGCGGTATCACTCACCTTGTTACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAG
TACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCTATATGCGGTAGCTGACGAAGGGCA
GCTTGAGTCCATGCCACCCACGAATTTCAGTGACAGACAACACCAAAAA
CCAAGTTTGAATTGGGAGGCACCTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGCT
AGTACTGAACCACTTGCGACACATGCTTACACACACACACACACACTA
TAAGTAGCATGTACCACCCAAGTAGTTTTTAACAACAACACTTGCGAATC
ACTTGCAATTCAAAAAAGTTCATTCTGAGTTGCATACCACAGCTGAATC
CATG

FIGURE 33

89/108

AAAAGGTTTACGAAATAGTTGTTATTAACTATATATGTTTCATGTAAC
TATTTCAATATAATTATTTGTATTACAGCAGAAAATCATTATTTCTATTA
CTTTGTATTATTATTTTGTGTTTGAGTGTTGTAAAATTGGGAATTACA
ACTATACTATTTTCGTATGGGAACAATTTGTTAATTTTGTGTCTCTCTTCT
CTTCATAGCTAGCTGACAGCGAGAACAAAAACCAAGATCTAATTGTGGAA
GTAGACTAGTAGTCGACCACCCATGCATGCTTACATAAGAAAACACACGC
ACTATAAGATTGGATGCACCACCCAAGCACTATAAAAAGGATGCACCACC
TAAGCAATTTTGGCAACAGCGCGCACTTGTTTGCATTCAAAAAGAAAAT
CTTACATAGCTGAACCAATG

FIGURE 34

90/108

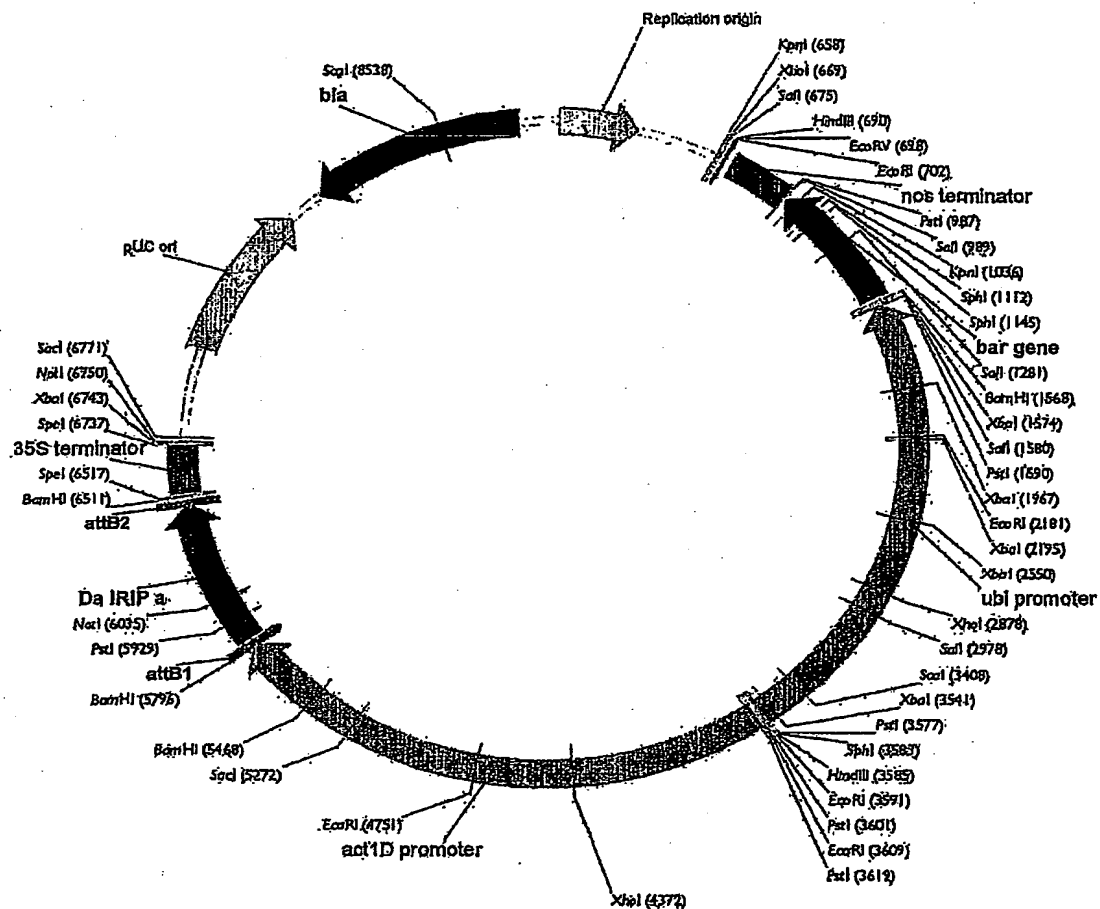


FIGURE 35

91/108

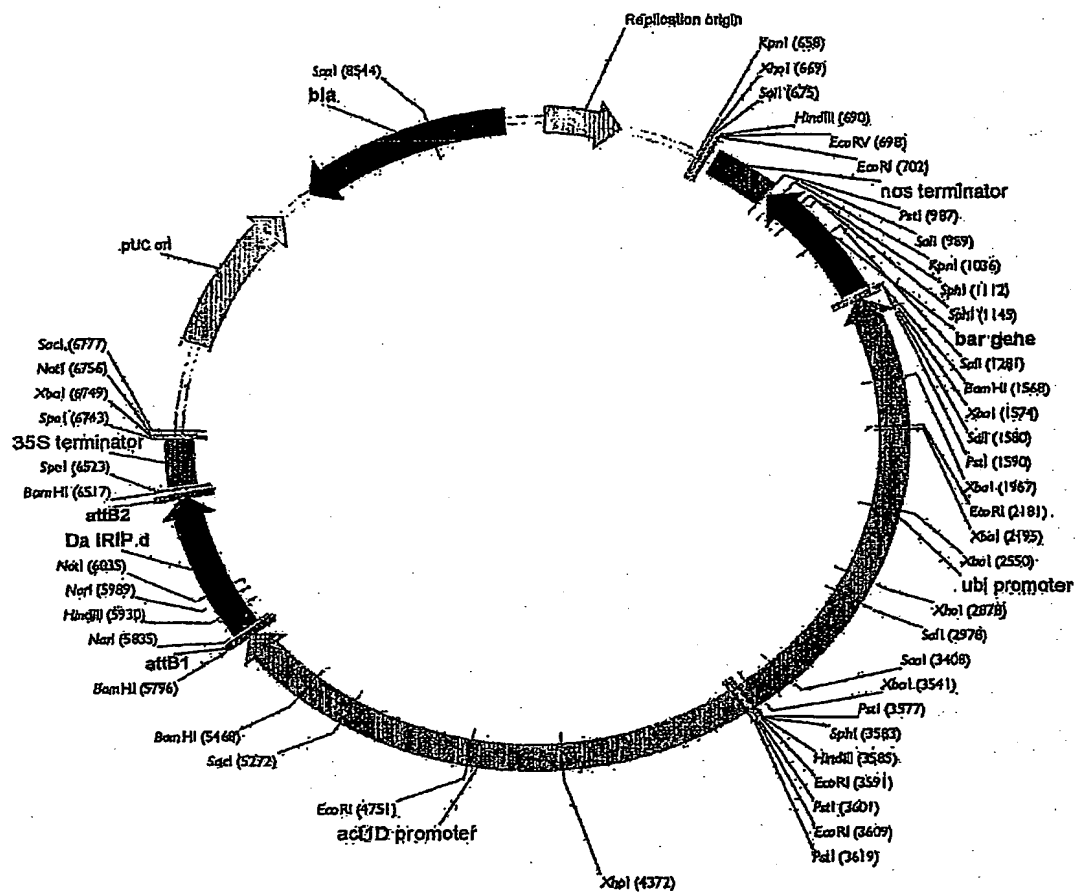


FIGURE 36

92/108

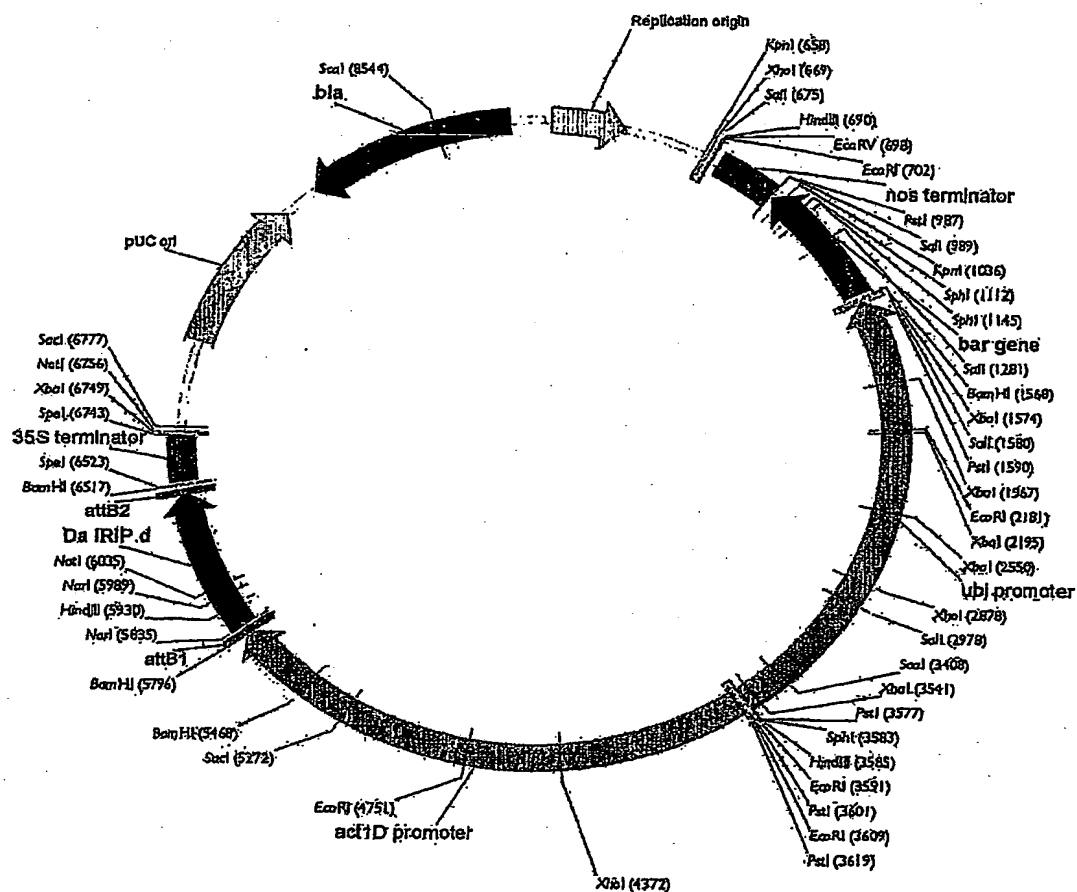


FIGURE 37

93/108

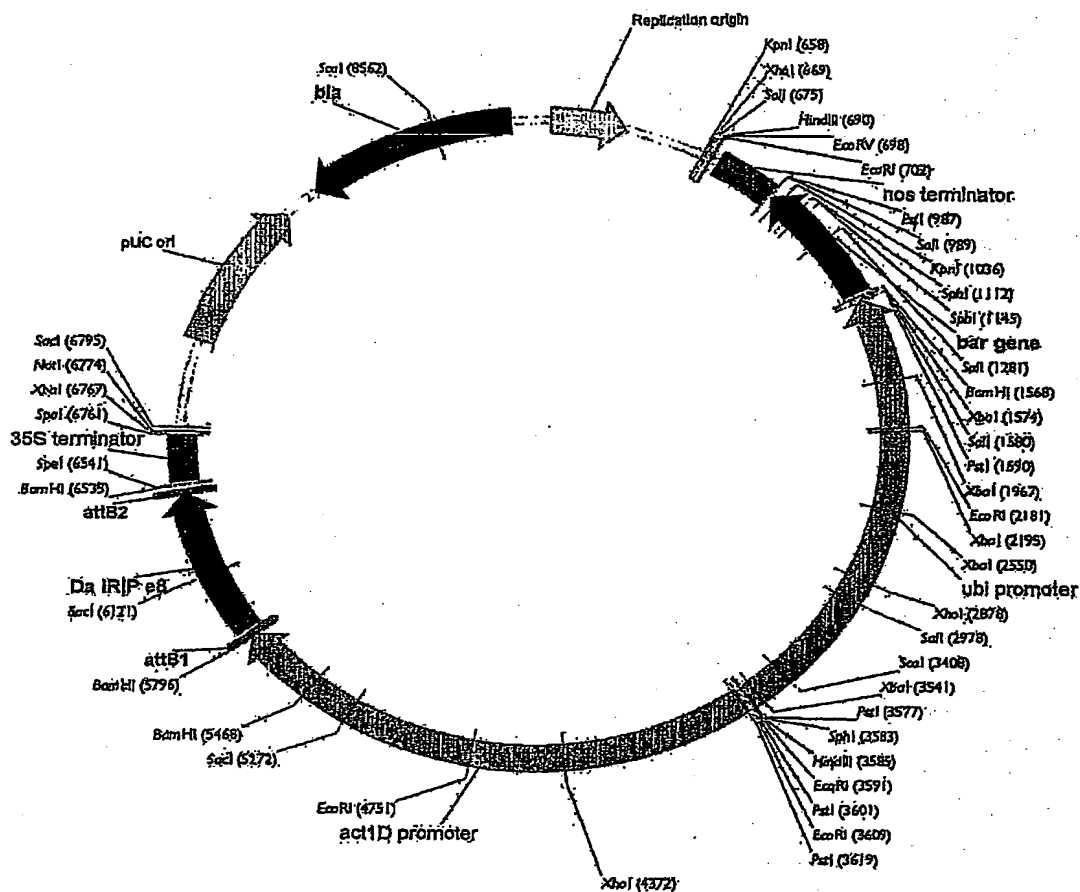


FIGURE 38

94/108

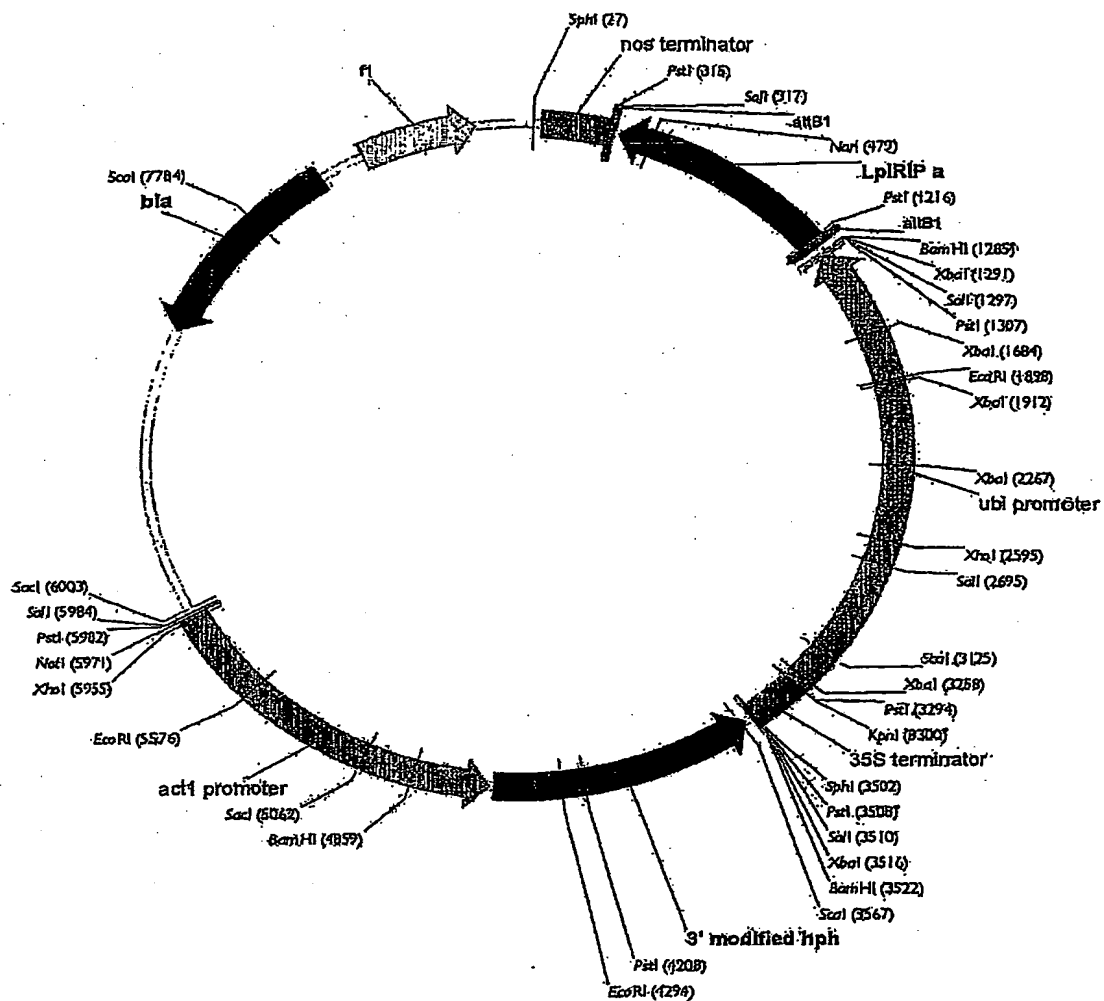


FIGURE 39

95/108

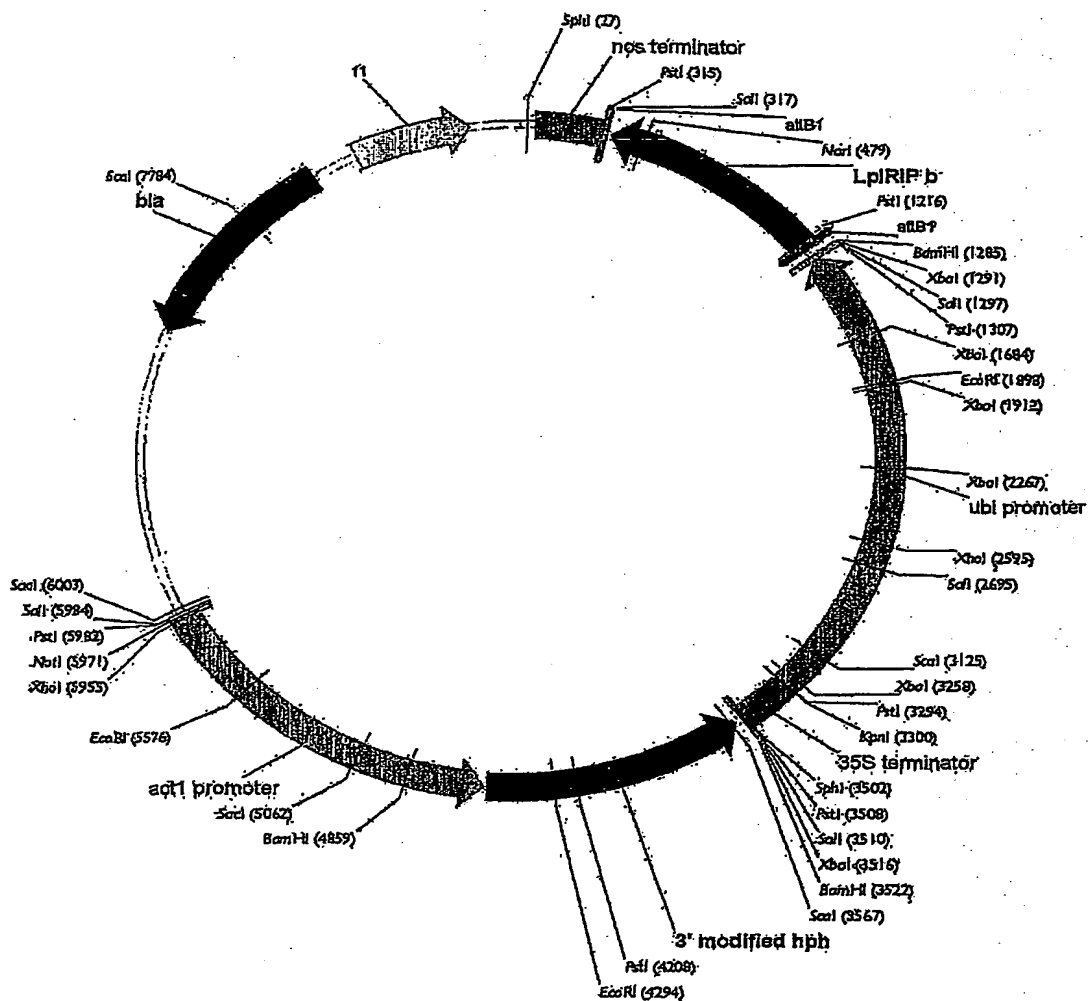


FIGURE 40

96/108

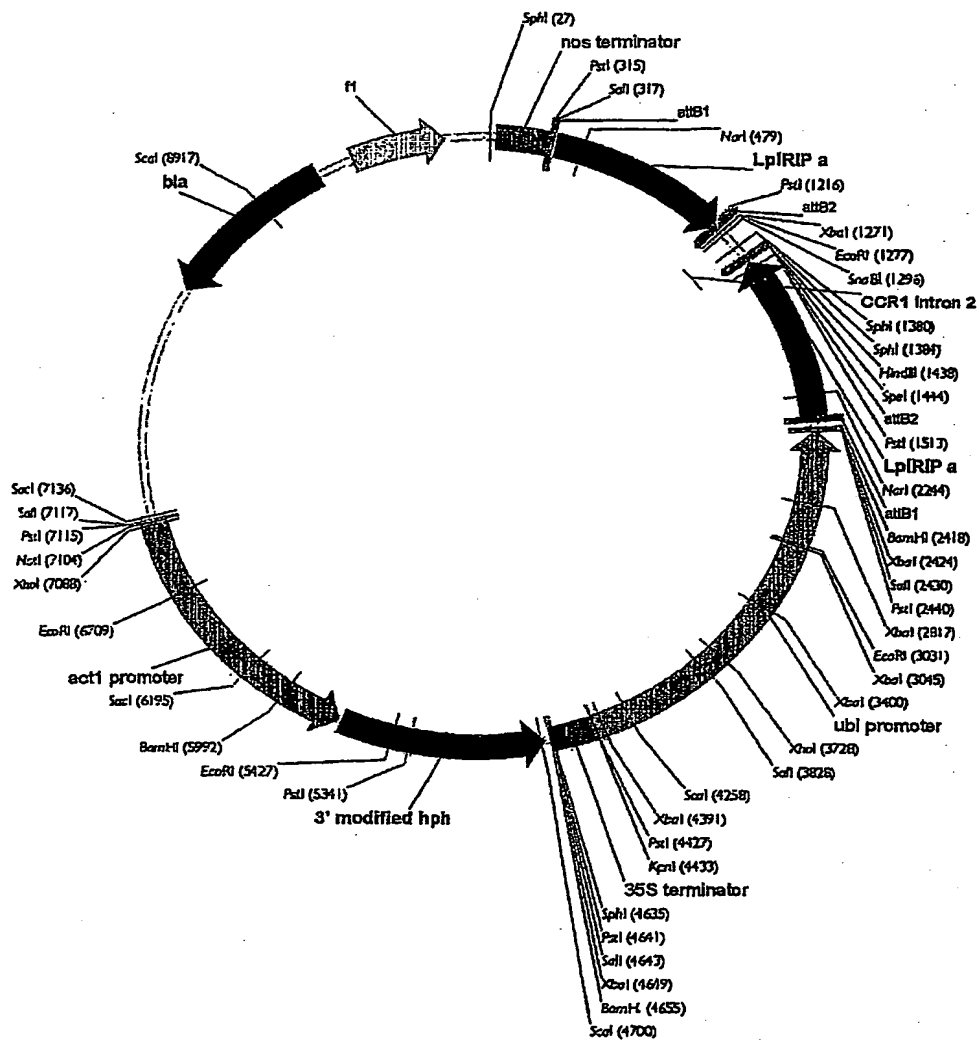


FIGURE 41

97/108

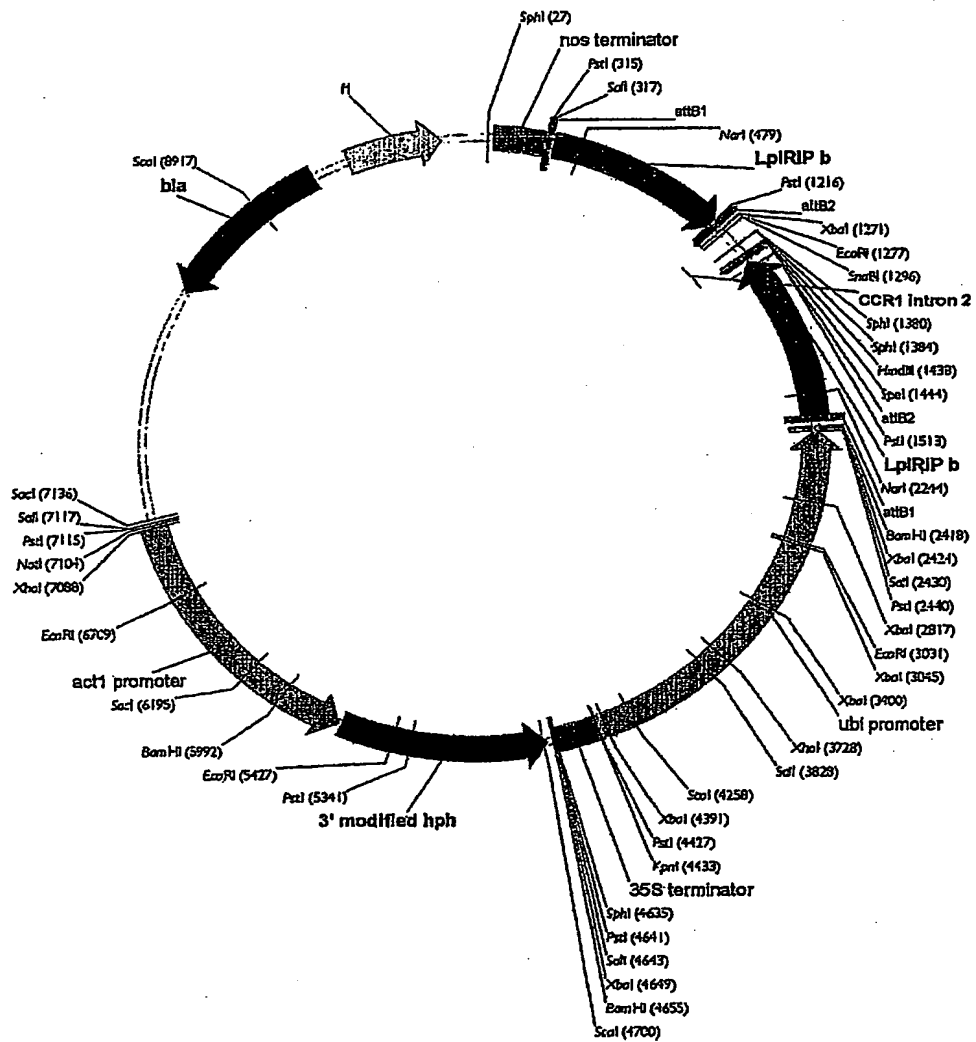


FIGURE 42

98/108

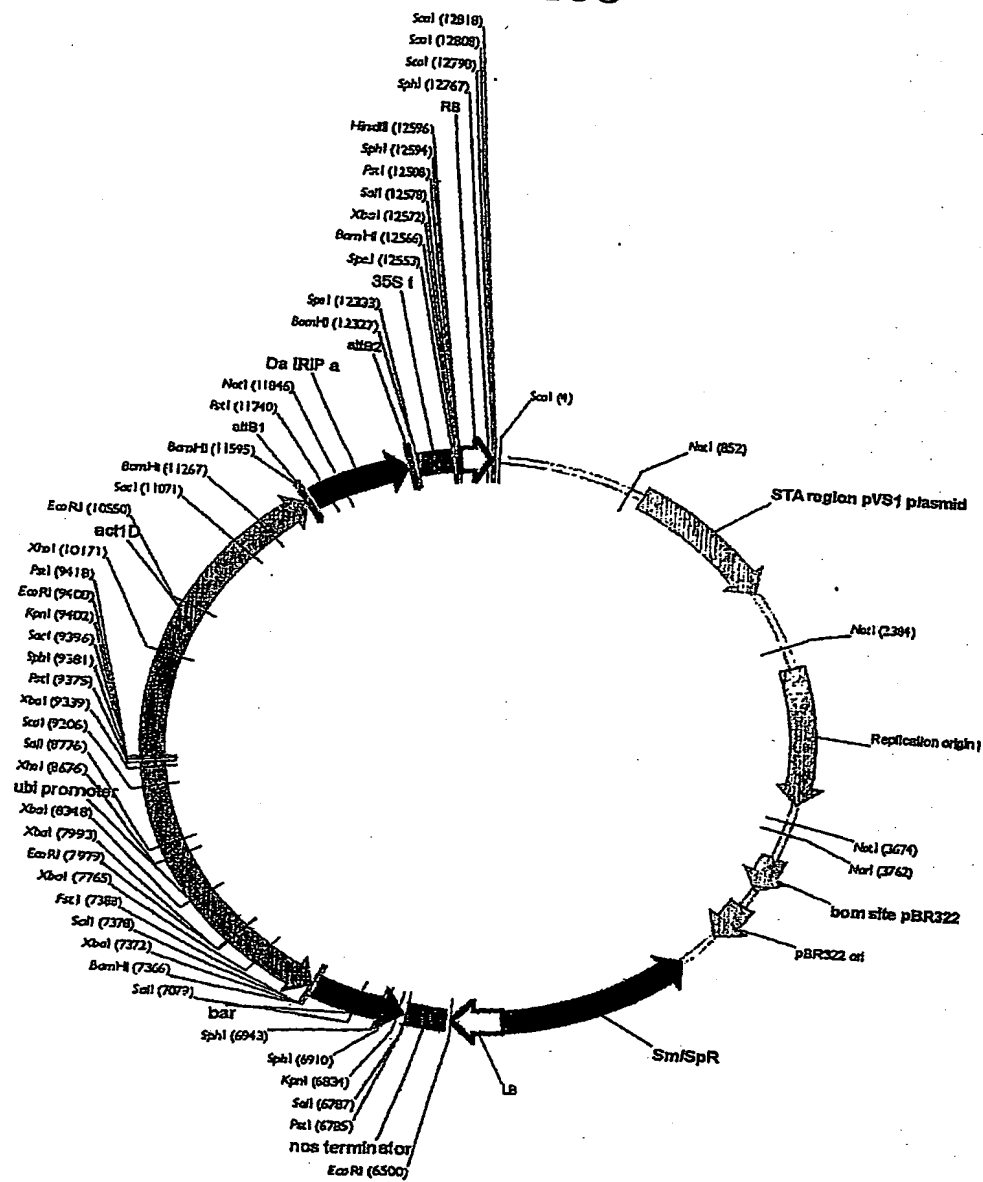


FIGURE 43

99/108

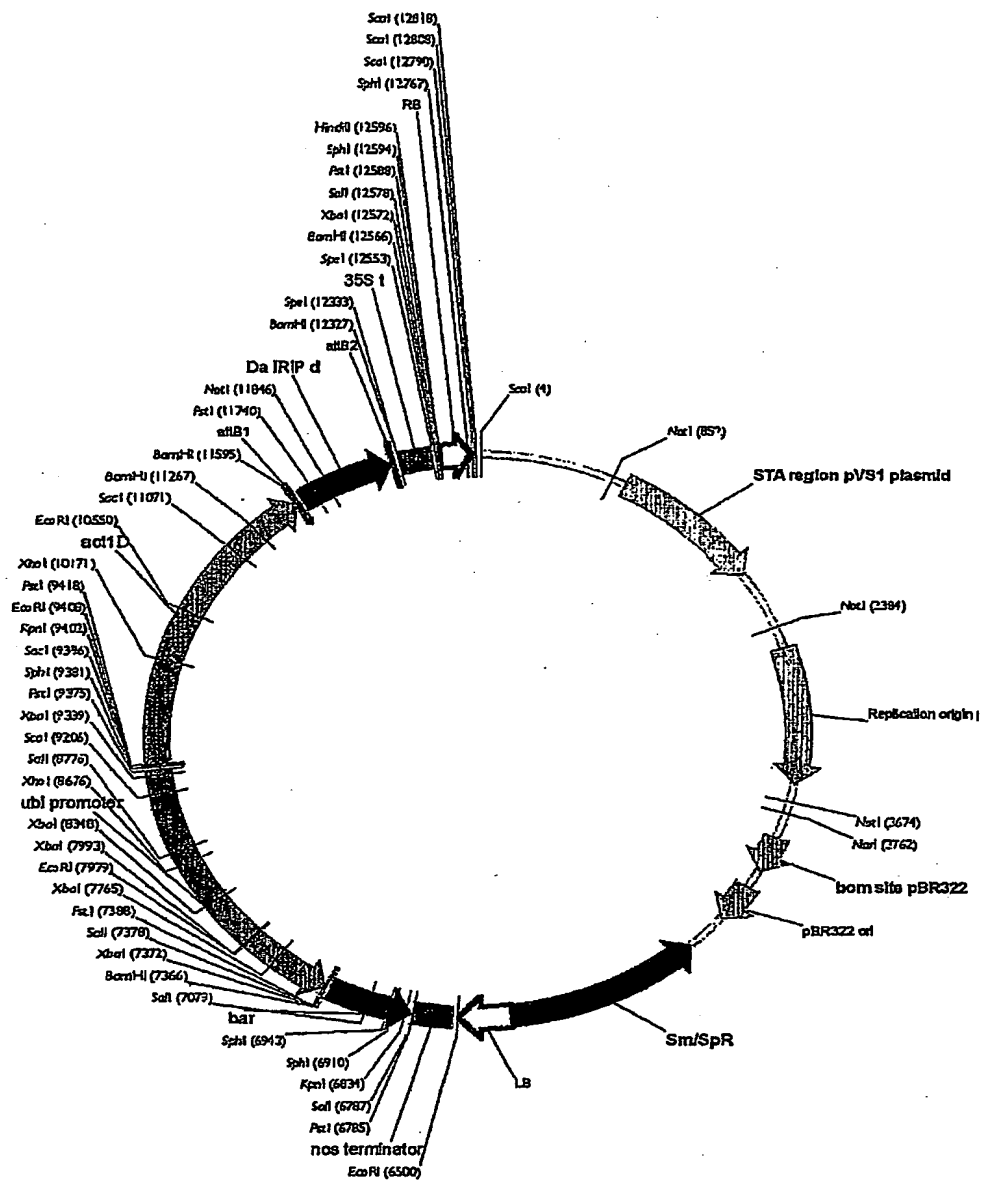


FIGURE 44

100/108

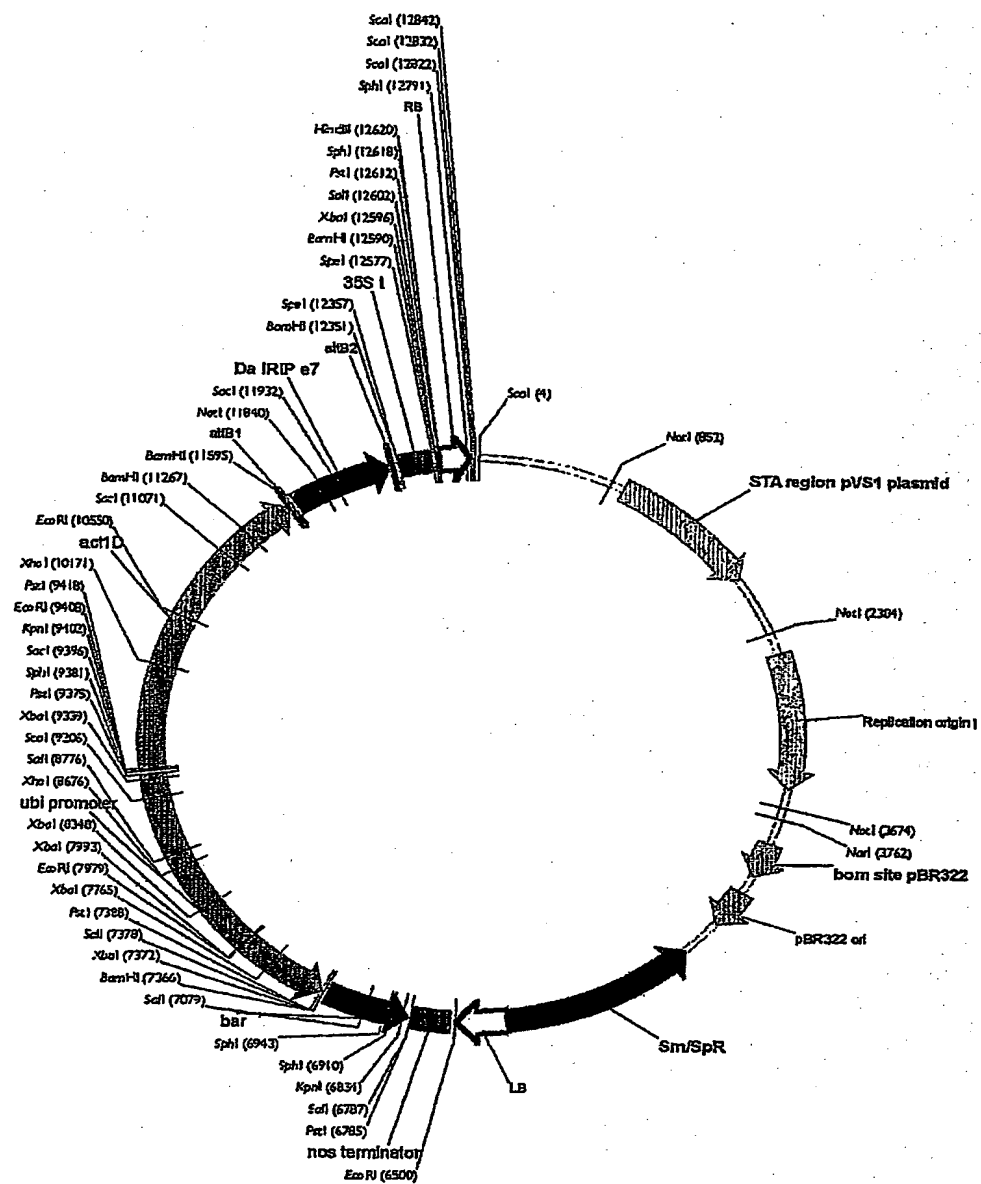


FIGURE 45

101/108

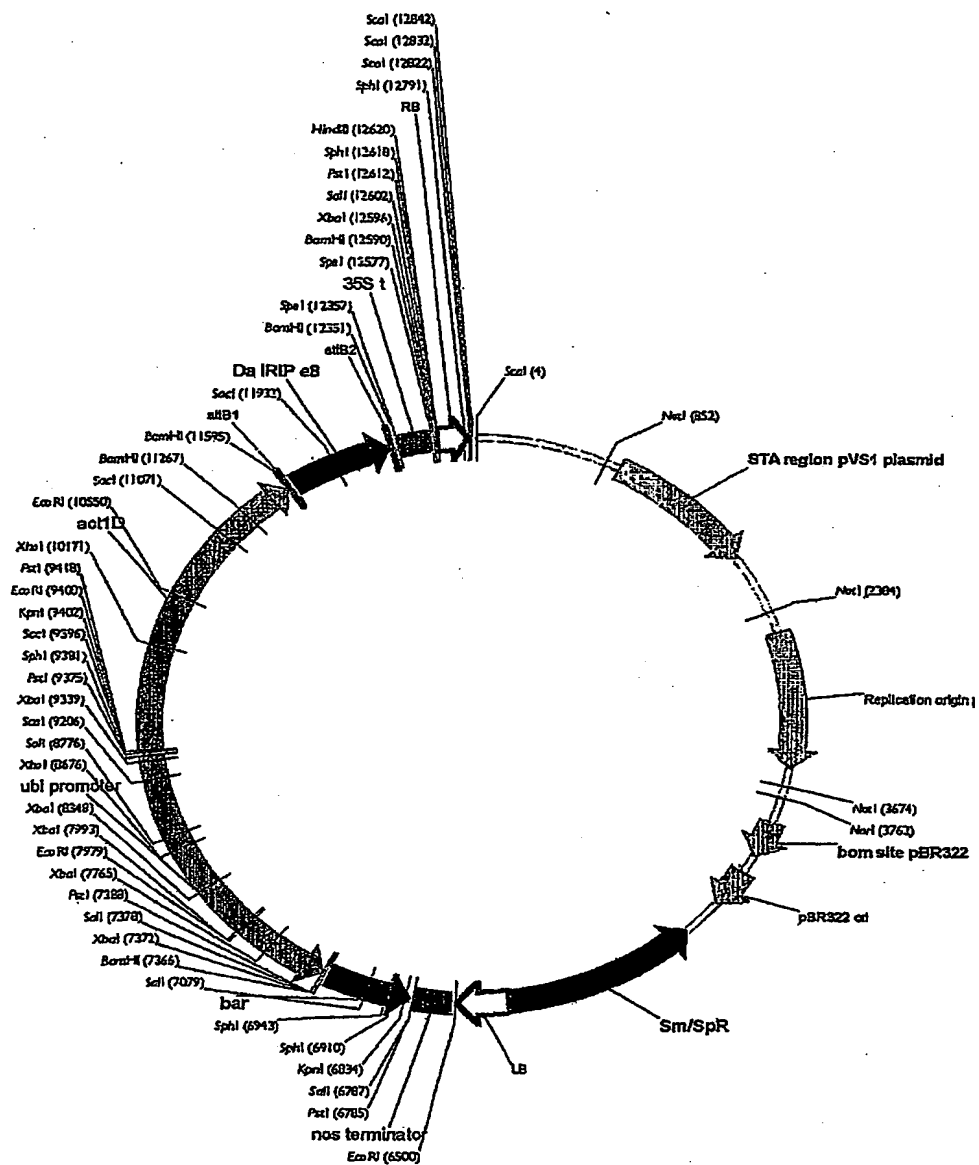


FIGURE 46

102/108

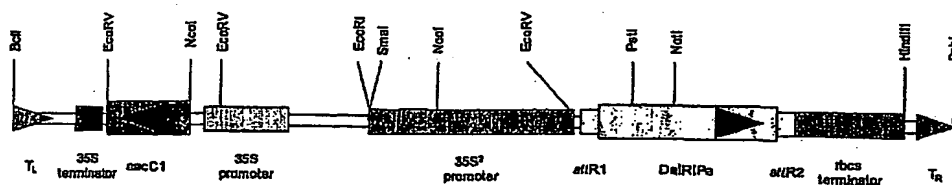


FIGURE 47

103/108

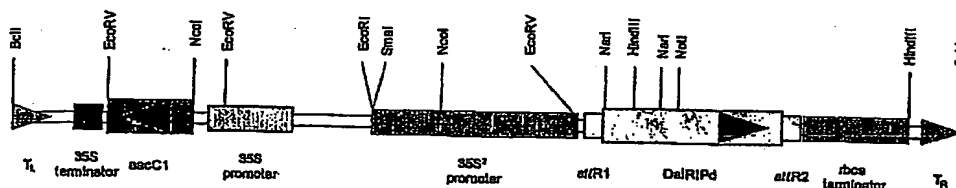
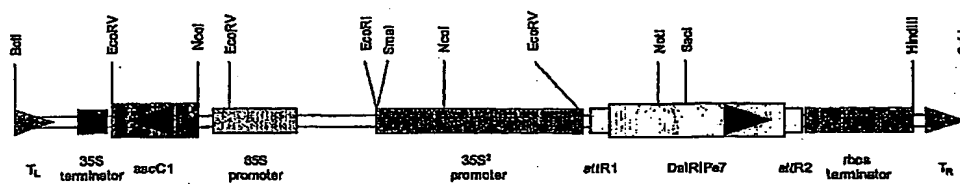


FIGURE 48

104/108

**FIGURE 49**

105/108

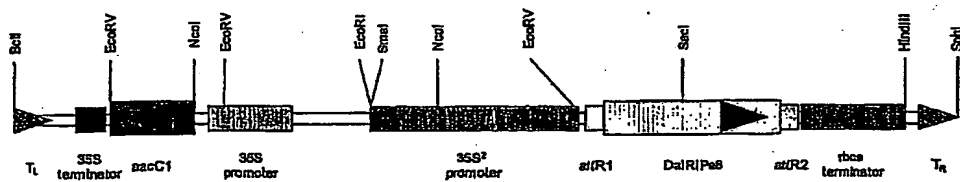


FIGURE 50

106/108

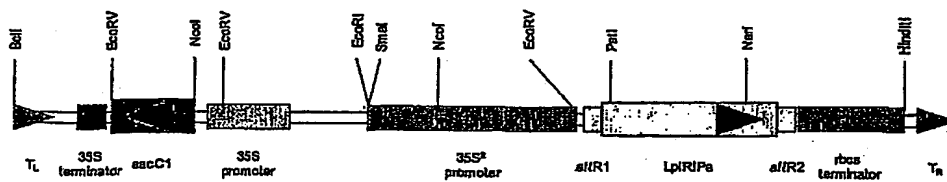


FIGURE 51

107/108

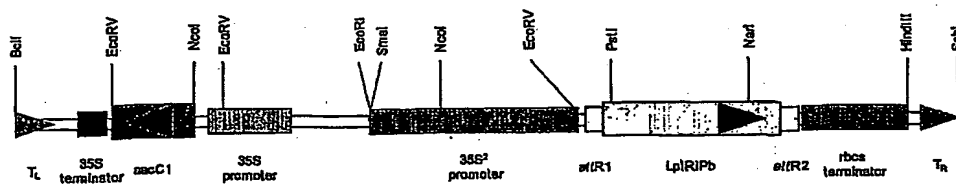


FIGURE 52

108/108

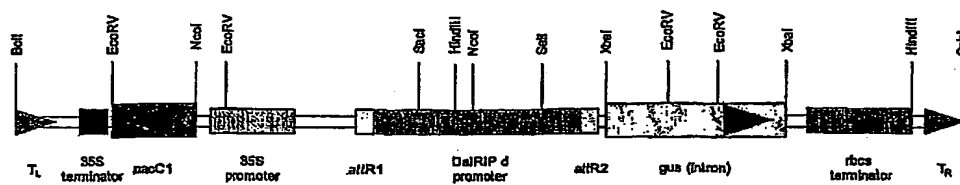


FIGURE 53